

ポスターセッション / Poster Session

ポスター賞への応募演題は、演題番号に*が付与されております

Numbers with * are presentations applying for Young Poster Award

1P-1 ポスター展示会場 (大ホール A+B) / Poster & Exhibition (Main Hall A+B)
6月11日(火) / June 11 (Tue.) 13:50 ~ 15:50

構造生物学 / Structural biology (1P-001 ~ 1P-052)

1P-001* デングウイルス抗原タンパク質 NS1 の多様な他量体形成に関する構造的洞察

Structural Insight into the Diverse Multimer Formation of Dengue Viral Protein NS1

○澤田 和宏¹ (Kazuhiro Sawada)、木本 路子^{2,3} (Michiko Kimoto)、佐野 文哉¹ (Fumiya Sano)、
主藤 裕太郎¹ (Yutaro Shuto)、平野 央人¹ (Hisato Hirano)、木瀬 孔明¹ (Yoshiaki Kise)、
伊藤 弓弦¹ (Yuzuru Itoh)、平尾 一郎^{2,3} (Ichiro Hirao)、濡木 理¹ (Osamu Nureki)

¹ 東大・理・生科 (Dept. of Biol. Sci., Sci., The Univ. of Tokyo)、

² Inst. of Bioeng. and Nanotech., A*STAR, Singapore、³ Xenolis Pte. Ltd.

1P-002* 糖質加水分解酵素の常識を覆す植物病原性糖鎖合成酵素の反応機構の解明

Reaction mechanism of the phytopathogenic glycan synthase, which break the common knowledge of glycoside hydrolases

○元内 省¹ (Sei Motouchi)、今場 司朗² (Shiro Komba)、中井 博之³ (Hiroyuki Nakai)、
中島 将博¹ (Masahiro Nakajima)

¹ 東京理科大・創域理工・生命生物 (Dept. of Appl. Biol. Sci., TUS)、² 農研機構 (NARO)、

³ 新潟大・農 (The Faculty of Agric. Niigata Univ.)

1P-003* CRISPR-Cas9 の分子進化の可視化

Visualization of the molecular evolution of CRISPR-Cas9

○長畑 直人¹ (Naoto Nagahata)、山田 崇太¹ (Sota Yamada)、岡崎 早恵² (Sae Okazaki)、
平泉 将浩¹ (Masahiro Hiraizumi)、山下 恵太郎¹ (Keitaro Yamashita)、加藤 一希³ (Kazuki Kato)、
西増 弘志^{1,2} (Hiroshi Nishimasu)

¹ 東大・工・化生 (Dept. of Chem. & Biotech., Grad. Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

² 東大・先端研・構造生命 (Struct. Biol. Div., RCAST, The Univ. of Tokyo)、

³ 東京医科歯科大・医歯総合・分子免疫 (Dept. of Mol. Immu., Grad. Sch. of Med. Dent., Tokyo Med. Dent. Univ.)

1P-004* 脂質二重膜に組み込まれた機能中膜タンパク質のクライオ電子顕微鏡単粒子解析

CryoEM analysis of membrane protein in function embedded in lipid bilayers

○中野 敦樹¹ (Atsuki Nakano)、岸川 淳一² (Jun-ichi Kishikawa)、ゲーレ クリストフ⁵ (Christoph Gerle)、
重松 秀樹⁴ (Hideki Shigematsu)、光岡 薫³ (Kaoru Mitsuoka)、横山 謙¹ (Ken Yokoyama)

¹ 京産大・生命科学 (Fac. of Life Sci., Kyoto Sangyo Univ.)、

² 京都工芸繊維大学応用生物学系 (Applied Biology, Kyoto Institute of Technology)、

³ 大阪大学超高压電子顕微鏡センター (Research Center for Ultra-High Voltage Electron Microscopy, Osaka University)、

⁴ 高輝度光科学研究センター (JASRI)、⁵ 理研放射光科学研究センター (RIKEN SPring-8 Center)

1P-005* Crystal structure of B lymphocyte associated co-receptor human CD72-CTLD

○Purnima Indeewari Thathsarani Liyanage¹、Nobutaka Numoto^{1,2}、Yuya Hanazono¹、
Takeshi Tsubata³、Nobutoshi Ito¹

¹ Department of Structural Biology, Medical Research Institute, Tokyo Medical and Dental University、

² International Center for Structural Biology, Research Institute for Interdisciplinary Science, Okayama University、

³ Department of Pathology, Nihon University School of Dentistry

1P-006* hERG チャネルの立体構造解析と LC/MS/MS による精製標品の定性分析

Structural Analysis of the hERG Channel and Qualitative Analysis of Purified Products Using LC/MS/MS

○宮下 靖臣^{1,2} (Yasuomi Miyashita)、小笠原 諭² (Satoshi Ogasawara)、紺野 亮³ (Ryo Konno)、
石川 将己³ (Masaki Ishikawa)、中島 大輔³ (Daisuke Nakajima)、小原 収³ (Osamu Ohara)、
斎藤 哲一郎¹ (Tetsuichiro Saito)、川島 祐介³ (Yusuke Kawashima)、村田 武士² (Takeshi Murata)

¹ 千葉大院・医 (Graduate School of Medicine, Chiba Univ.)、² 千葉大院・理 (Graduate School of Science, Chiba Univ.)、

³ かずさ DNA 研究所 (Kazusa DNA Research Institute)

- 1P-007*** PET 薬剤開発を志向した脳内疾患関連タンパク質の構造解析
Structural analysis of disease-associated proteins in the brain for PET ligand development
○後藤 楓¹(Kaede Goto)、伴野 詢太¹(Junta Tomono)、古本 祥三²(Shozo Furumoto)、
岡村 信行³(Nobuyuki Okamura)、原田 龍一³(Ryuichi Harada)、横山 武司¹(Takeshi Yokoyama)、
田中 良和¹(Yoshikazu Tanaka)
¹東北大・院生命 (Grad. Sch. Life Sci., Tohoku Univ.)、²東北大・CYRIC (Grad. Sch. CYRIC., Tohoku Univ.)、
³東北医科薬科大・院薬理学 (Grad. Sch. Pharm. Sci., Tohoku Med. & Pharm. Univ.)
- 1P-008*** Structure-activity relationship (SAR) study of hydrophobic moiety of nonsteroidal VDR ligands using diphenylsilane scaffold
○Hansaka Nirupama Thilakarathne Narasinghe Mudiyansele^{1,2}、Takashi Misawa³、
Yosuke Demizu³、Yuya Hanazono¹、Nobutoshi Ito¹、Hiroyuki Kagechika²、Shinya Fujii²
¹Tokyo Medical and Dental University, Medical research institute (MRI, TMDU)、
²Institute of Biomaterials and Bioengineering, Tokyo Medical and Dental University、
³National Institute of Health Sciences
- 1P-009*** 好冷性緑藻由来フェレドキシンの X 線結晶構造解析
X-ray crystallography of ferredoxin from Antarctic green alga
○山本 那菜^{1,2}(Nana Yamamoto)、大西 裕介¹(Yusuke Onishi)、田中 秀明^{1,2}(Hideaki Tanaka)、
栗栖 源嗣^{1,2}(Genji Kurisu)
¹阪大・蛋白質 (IPR, Osaka Univ.)、²阪大・理 (Graduate School of Sci., Osaka Univ.)
- 1P-010*** 構造情報に立脚した α ヘモリジン膜孔の分子設計
Molecular design of α -hemolysin membrane pores based on structural information
○内藤 航大¹(Kota Naito)、中田 彩夏²(Ayaka Nakada)、藤田 祥子²(Shoko Fujita)、
横山 武司¹(Takeshi Yokoyama)、川野 竜司²(Ryuji Kawano)、田中 良和¹(Yoshikazu Tanaka)
¹東北大・院生命 (Grad. Sch. Life Sci. Tohoku Univ.)、
²東京農工大・院工学 (Grad. Sch. Biotech & Life Sci. Tokyo Agri & Tech Univ.)
- 1P-011*** クリタケ由来不凍タンパク質の発現系構築、精製法の確立および機能解析
Expression, purification and characterization of antifreeze protein from Kuritake mushroom, *Hypholoma sublateritium*
○五島 祐美^{1,2}(Yumi Goshima)、大山 恭史²(Yasushi Ohyama)、近藤 英昌^{1,2}(Hidemasa Kondo)
¹北大院生命 (Hokkaido Univ.)、²産総研・生物プロセス (BPRI, AIST)
- 1P-012*** マツタケが産出する不凍タンパク質の機能解析
Characterization of antifreeze protein from Matsutake mushroom
○Danyi Meng^{1,2}、大山 恭史²(Yasushi Ohyama)、近藤 英昌^{1,2}(Hidemasa Kondo)
¹北大院生命 (Hokkaido Univ.)、²産総研・生物プロセス (BPRI, AIST)
- 1P-013*** 哺乳類 V-ATPase の構造解析
Structural analysis of mammalian V-ATPase
○西田 結衣¹(Yui Nishida)、中西 温子²(Atsuko Nakanishi)、中野 敦樹¹(Atsuki Nakano)、
上田 楓華¹(Fuka Ueda)、光岡 薫²(Kaoru Mitsuoka)、横山 謙¹(Ken Yokoyama)
¹京産大・生命 (Grad.Sch. Bioscience., Kyoto Sangyo Univ.)、
²阪大・超高压電顕センター (Research Center for UHVEM., Osaka Univ.)
- 1P-014*** Rab ファミリー低分子量 GTPase のユビキチン化による新規制御機構
A novel ubiquitination mechanism of Rab family small GTPases
○白井 詢 (Jun Shirai)、高橋 俊樹 (Toshiki Takahashi)、川原 裕之 (Hiroyuki Kawahara)
都立大・理・生命・細胞生化 (Cell. Biochem. Lab., Dept. of Biol. Sci., Tokyo Metropolitan Univ.)

1P-015* 温泉由来新規 Cas9 の機能構造解析

Functional and structural studies of a novel Cas9 identified from hot spring

○亀甲 理¹ (Osamu Kikko)、松本 俊介² (Shunsuke Matsumoto)、石野 園子² (Sonoko Ishino)、
松本 裕之³ (Hiroyuki Matsumoto)、野口 真大³ (Masahiro Noguchi)、沼田 倫征² (Tomoyuki Numata)、
石野 良純² (Yoshizumi Ishino)

¹ 九大・農・生資環 (Dep. of Biosci and Biotec., Kyusyu Univ.)、² 九大・農 (Dep. of Biosci and Biotec., Kyusyu Univ.)、
³ タカラバイオ (Takara Bio Inc.)

1P-016* 自然免疫受容体 IFI16 の構造生物学的研究

Structural biology of the innate immune receptor IFI16

○高橋 龍一 (Ryuichi Takahashi)

東大・薬 (Grad. School of Pharm. Sci., The Univ. of Tokyo)

1P-017* 溶解性多糖モノオキシゲナーゼの基質結合面上のチロシン残基：セルロース分解促進効果に与える影響

Impact of Tyrosine Residues on Lytic Polysaccharide Monoxygenase's Surface in Enhancing Cellulose Degradation

○八木 勇成^{1,2} (Yusei Yagi)、近藤 敬子^{1,3,4} (Keiko Kondo)、グエン フエン^{1,2} (Nguyen Huyen)、
渡邊 隆司^{5,6} (Takashi Watanabe)、三上 文三^{1,5} (Bunzo Mikami)、永田 崇^{1,2,3,4} (Takashi Nagata)、
片平 正人^{1,2,3,4} (Masato Katahira)

¹ 京大・エネ研 (Inst. Adv. Energy., Kyoto Univ.)、² 京大院・エネ科 (Grad. Sch. Energy., Kyoto Univ.)、
³ 京大・エネ研・カーボンネガティブ (Integr. Res. Center Carbon Negative Sci., Inst. Adv. Energy., Kyoto Univ.)、
⁴ 京大・バイオマスプロダクトツリー (Biomass Product Tree Ind. Academia Collaborative Res. Lab., Kyoto Univ.)、
⁵ 京大・生存研 (Res. Inst. Sustain. Hum., Kyoto Univ.)、⁶ 京大院・農 (Grad. Sch. Agric., Kyoto Univ.)

1P-018* 超音波照射法を用いて形成した α シヌクレインアミロイド線維の構造解析

Structural analysis of α -synuclein amyloid fibril formed using ultrasonic irradiation

○太田 朝貴¹ (Tomoki Ota)、中島 吉太郎¹ (Kichitaro Nakajima)、山口 圭一¹ (Keiichi Yamaguchi)、
後藤 祐児¹ (Yuji Goto)、高崎 寛子² (Hiroko Takazaki)、廣瀬 未果² (Mika Hirose)、加藤 貴之² (Takayuki Kato)、
萩 博次¹ (Hirotsugu Ogi)

¹ 阪大・工 (Grad. Sch. Eng., Osaka Univ.)、² 阪大・蛋白質研 (IPR, Osaka Univ.)

1P-019* B型血液型抗原に特異的なビフィズス菌の酵素の構造解析

Structural insight into a bifidobacterial enzyme specific for type B blood group antigen

○翁 晴¹ (Qing Weng)、鹿島 勝真¹ (Toma Kashima)、廖 増威¹ (Zengwei Liao)、赤間 恵¹ (Megumi Akama)、
宮永 顕正^{1,3} (Akimasa Miyanaga)、芦田 久² (Hisashi Ashida)、伏信 進矢^{1,3} (Shinya Fushinobu)

¹ 東大院・農生科・応生工 (Dept. of Biotech., The Univ. of Tokyo)、
² 近畿大・生物理工 (Faculty of Bio-Oriented Science and Tech., Kindai Univ.)、³ 東大 CRIIM (CRIIM)

1P-020* 原核生物由来 Retron の構造機能解明

Structural and functional analysis of Retron

○石川 潤一郎¹ (Junichiro Ishikawa)、米山 幹太¹ (Kanta Yoneyama)、平泉 将浩¹ (Masahiro Hiraizumi)、
山下 恵太郎² (Keitaro Yamasita)、氣賀 恒太朗³ (Kotaro Kiga)、西増 弘志² (Hiroshi Nishimasu)

¹ 東大・工・化学生命 (Dept. of Chem. & Biotech., Grad. Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、
² 東大・先端研 (RCAST, The Univ. of Tokyo)、³ 感染症研 (NIID)

1P-021* 結核菌の MDP1 の C 末端天然変性領域の NMR 解析

NMR analysis of the C-terminal intrinsically disordered region of Mycobacterial DNA-binding protein 1 (MDP1)

○浅井 彩花¹ (Ayaka Asai)、合田 名都子¹ (Natsuko Goda)、天野 剛志^{1,2} (Takeshi Tenno)、
日比野 絵美¹ (Emi Hibino)、西山 晃史³ (Akihito Nishiyama)、伊東 孝祐^{3,4} (Kosuke Ito)、
松本 壮吉⁴ (Sohkichi Matsumoto)、廣明 秀一^{1,2,5} (Hidekazu Hiroaki)

¹ 名大・創薬・構分 (Grad. School of Pharm. Sci., Nagoya Univ.)、² 合同会社 BeCellBar (BeCellBar)、
³ 新潟大・院・歯医学総合研 (Grad. School of Med and Dent Sci., Niigata Univ.)、
⁴ 新潟大・院・自然科学研 (Grad. School of Sci and Tech., Niigata Univ.)、⁵ COMIT

- 1P-022*** LGR4 による Wnt シグナル伝達制御の構造生物学的研究
Structural biology studies on Wnt signaling regulation by LGR4
○彭 宇軒 (Yuxuan Peng)
東大・薬・薬科学 (Phar., The Univ. of Tokyo)
- 1P-023*** 中性子構造解析による, cytidine deaminase の生成物アンモニア保持機構解明
Neutron crystallography to elucidate the mechanism of ammonia molecular retention in cytidine deaminase
○宇賀神 魁¹ (Kaito Ugajin)、横溝 太一¹ (Taichi Yokomizo)、梶江 啓志¹ (Hiroshi Kajie)、
内田 明希¹ (Aki Uchida)、尾瀬 農之^{1,2} (Toyoyuki Ose)
¹ 北大院・生命科学 (Grad. School. Life Sci., Hokkaido Univ.)、
² 北大院・先端生命 (Faculty of Advanced Life Science., Hokkaido Univ.)
- 1P-024*** 免疫受容体 LILRA2 のリガンド A2L 認識機構
Molecular mechanism of ligand A2L recognition by immune activation receptor LILRA2
○オウ カキ¹ (Jiaqi Wang)、古川 敦^{1,2} (Atsushi Furukawa)、山崎 莉佳¹ (Rika Yamazaki)、
荒瀬 尚³ (Hisashi Arase)、平安 恒幸⁴ (Kouyuki Hirayasu)、前仲 勝実^{1,5,6,7} (Katsumi Maenaka)
¹ 北大・薬 (Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 金沢大・薬 (Pharm., Kanazawa Univ.)、
³ 阪大・微研 (Res. Inst. Microbial Diseases, Osaka Univ.)、
⁴ 金沢大・先進予防 (Adv. Preventive. Med. Sci. Res. Center, Kanazawa Univ.)、
⁵ 北大・人獣研 (Int. Inst. Zoonosis Control, Hokkaido Univ.)、⁶ 北大・ワクチン (IVReD, Hokkaido Univ.)、
⁷ 九大・薬 (Facult. Pharm. Sci., Kyushu Univ.)
- 1P-025*** SARS-CoV-2 由来ペプチドの A β 42 の有無におけるアミロイド線維の解析
Analysis of amyloid fibril of SARS-CoV-2 peptide with and without A β 42
○山口 真稔¹ (Manami Yamaguchi)、合田 名都子¹ (Natsuko Goda)、天野 剛志^{1,2} (Takeshi Tenno)、
日比野 絵美¹ (Emi Hibino)、廣明 秀一^{1,2,3} (Hidekazu Hiroaki)
¹ 名大院創薬 (Rad. Sch. Pharm. Sci., Nagoya Univ.)、² 合同会社 BeCellBar (BeCellBar, LLC)、³ COMIT
- 1P-026*** 分子動力学計算によるアクチン線維のヌクレオチド依存的構造状態解析
Molecular dynamics analysis on the nucleotide-state-dependent structural state of actin filament
○水口 皓太¹ (Kota Mizuguchi)、大貫 隼² (Jun Ohnuki)、島貫 京子¹ (Kyoko Shimanuki)、
久保 大地¹ (Daichi Kubo)、高野 光則¹ (Mitsunori Takano)
¹ 早大・先進理工・物理応物 (Dept. of Pure & Appl. Phys., Grad. Sci. Adv. Sci. & Eng., Waseda Univ.)、
² 分子研・理論計算分子科学 (Dept. of Theor. & Comput. Mol. Sci., Inst. for Mol. Sci.)
- 1P-027*** ヒトゲノムをターゲット可能なセリンリコンビナーゼのクライオ電子顕微鏡解析
Cryo-EM analysis of the human genome-targeting serine recombinase
○伊藤 千華 (Chika Ito)
東大・工・化学生命 (Dept. of Chem. & Biotech., Grad. Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)
- 1P-028*** TycC-TE による非リボソーム性ペプチド Tyrocidine 環状化の構造研究
Structural studies on the cyclization of the non-ribosomal cyclic peptide tyrocidine by the
thioesterase domain TycC-TE
○斉藤 梨乃¹ (Rino Saito)、永江 峰幸¹ (Takayuki Nagae)、武田 光広¹ (Mitsuhiro Takeda)、
今野 翔² (Sho Konno)、青山 洋史¹ (Hiroshi Aoyama)、谷口 敦彦² (Atsuhiko Taniguchi)、
林 良雄² (Yoshio Hayashi)、三島 正規¹ (Masaki Mishima)
¹ 東京薬大・薬 (Dept. Pharm, Tokyo Univ. of Pharm. and Life Sci.)、
² 東京薬大・生命 (Dept. Life Sci, Tokyo Univ. of Pharm. and Life Sci.)
- 1P-029*** Cryo-EM 用グリッドの機能化を目指した基板上グラフェンの酸クロリド修飾
Acid chloride modification of graphene for to functionalize grids for Cryo-EM
○藤森 大志¹ (Masayuki Fujimori)、井上 豪^{1,2} (Tsuyoshi Inoue)、浅原 時泰^{1,2} (Haruyasu Asahara)
¹ 阪大・薬 (Phs, Osaka Univ.)、² 阪大先導的学際研 (OTRI)

- 1P-030*** 脊椎動物由来のレトロトランスポゾン因子 R2Vb のクライオ電子顕微鏡構造解析
Cryo-EM structure of R2Vb, a retrotransposon factor from vertebrates
 ○藤松 健太¹ (Kenta Fujimatsu)、岡崎 早恵² (Sae Okazaki)、諫山 縁³ (Yukari Isayama)、
 平泉 将浩¹ (Masahiro Hiraizumi)、山下 恵太郎¹ (Keitaro Yamasita)、西増 弘志^{1,2} (Hiroshi Nishimasu)
¹ 東大・工・化学生命 (Dept. of Chem. & Biotech., Grad. Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、
² 東大・先端研・構造生命 (Struct. Biol. Div., RCAST, The Univ. of Tokyo)、
³ 東京医科歯科大・医歯総合・分子免疫 (Dept. of Mol. Immu., Grad. Sch. of Med. Dent., Tokyo Med. Dent. Univ.)

- 1P-031*** 新規 RNA 依存性リコンビナーゼのクライオ電子顕微鏡構造解析
Cryo-EM analysis of a novel RNA-guided recombinase
 ○塩尻 南美¹ (Nami Shiojiri)、岡崎 早恵² (Sae Okazaki)、諫山 縁³ (Yukari Isayama)、
 平泉 将浩¹ (Masahiro Hiraizumi)、山下 恵太郎¹ (Keitaro Yamasita)、西増 弘志^{1,2} (Hiroshi Nishimasu)
¹ 東大・工・化学生命 (Dept. of Chem. & Biotech., Grad. Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、
² 東大・先端研 (RCAST, The Univ. of Tokyo)、
³ 東京医科歯科大・医歯総合・分子免疫 (Dept. of Mol. Immu., Grad. Sch. of Med. Dent., Tokyo Med. Dent. Univ.)

- 1P-032*** 原核生物の抗ファージ防御機構 Retron の構造機能解明
Structural and functional analysis of Retron, a prokaryotic antiphage defense system
 ○米山 幹太¹ (Kanta Yoneyama)、満田 義久¹ (Yoshihisa Mitsuda)、石川 潤一郎¹ (Junichiro Ishikawa)、
 岡崎 早恵² (Sae Okazaki)、平泉 将浩¹ (Masahiro Hiraizumi)、山下 恵太郎¹ (Keitaro Yamashita)、
 氣賀 恒太郎³ (Kotaro Kiga)、西増 弘志^{1,2} (Hiroshi Nishimasu)
¹ 東大・工・化学生命 (Dept. of Chem. & Biotech., Grad. Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、
² 東大・先端研 (RCAST, The Univ. of Tokyo)、³ 感染症 (NIID)

- 1P-033*** ミトコンドリア内膜 AAA+ プロテアーゼ Yme1 の構造および分子動態解析
Structural and molecular dynamics of mitochondrial inner membrane AAA+ protease Yme1
 ○今井 湧太¹ (Yuta Imai)、古寺 哲幸² (Noriyuki Kodera)、荒磯 裕平¹ (Yuhei Araisu)
¹ 金沢大・医薬保健・保健 (Dept. of Clin. Lab. Sci., Div. of Health Sci., Kanazawa Univ.)、
² 金沢大・ナノ生命研 (WPI-NanoLSI, Kanazawa Univ.)

- 1P-034*** キシローストランスporterによる基質認識と輸送の構造基盤
Structural analysis of bacterial xylose transporter
 ○高橋 祐太郎¹ (Yutaro Takahashi)、山本 琴美¹ (Kotomi Yamamoto)、高橋 諄¹ (Jun Takahashi)、
 Min Fey Chek¹、箱嶋 敏雄¹ (Toshio Hakoshima)、田中 良樹² (Yoshiki Tanaka)、
 市川 宗巖³ (Muneyoshi Ichikawa)、宮崎 亮次¹ (Ryoji Miyazaki)、甲賀 栄貴¹ (Hidetaka Kohga)、
 塚崎 智也¹ (Tomoya Tsukazaki)
¹ 奈良先端大 (NAIST)、² アグロデザイン (AgroDesign)、³ 復旦大学 (Fudan Univ.)

- 1P-035** 祖先型ミオグロビンのグロビンフォールドで発見された大規模構造変化
Large-scale structural changes discovered in a globin fold of ancestral myoglobins
 ○磯貝 泰弘¹ (Yasuhiro Isogai)、常重 アントニオ² (Antonio Tsuneshige)、今村 比呂志³ (Hiroshi Imamura)、
 中江 撰³ (Setsu Nakae)、白井 剛³ (Tsuyoshi Shirai)
¹ 富山県大・医薬工 (Dept. Pharmaceutical Engin., Toyama Pref. Univ.)、
² 法政大・フロンティアバイオサイエンス・マイクロ-ナノテクノロジー研究センター (Dept. Frontier Biosci., Micro-Nano Tech. Res. Center, Hosei Uni.)、
³ 長浜バイオ大・バイオサイエンス (Dept. Bio-sci., Nagahama Inst. Bio-Sci. Tech.)

- 1P-036** Na⁺ ポンプの Na⁺ 段階的結合の構造的理解
Structural basis for Na⁺-sequential binding of Na⁺-pump
 ○金井 隆太¹ (Ryuta Kanai)、Bente Vilsen²、Flemming Cornelius²、豊島 近¹ (Chikashi Toyoshima)
¹ 東大・定量研 (IQB, The Univ. of Tokyo)、² Dept. of Biomed., Aarhus Univ.

- 1P-037 D/H コントラスト法による蛋白質水和水の結晶構造学的解析**
Crystallographic analysis of protein hydration by D/H contrast technique
 ○角南 智子¹ (Tomoko Sunami)、茶竹 俊行² (Toshiyuki Chatake)、藤原 悟¹ (Satoru Fujiwara)、
 田中 伊知朗³ (Ichiro Tanaka)、日下 勝弘⁴ (Katsuhiko Kusaka)
¹ 量研・量子生命 (iQLS, QST)、² 京大・複合研 (KURNS, Kyoto Univ.)、
³ 茨大・理工 (Graduate School of Sci. and Eng., Ibaraki Univ.)、
⁴ 総合科学研究機構・中性子産業利用推進センター (NIAPC, CROSS)
- 1P-038 安定同位体標識した HBV X 蛋白質由来ペプチドの簡便な調製法と NMR による宿主蛋白質との弱い相互作用系への応用**
A simple preparation method for stable isotope-labeled HBx-derived peptides and an application to weak interaction with host proteins by NMR
 ○楠 英樹¹ (Hideki Kusunoki)、小林 直宏² (Naohiro Kobayashi)、若松 馨³ (Kaori Wakamatsu)、
 田中 俊之^{4,5} (Toshiyuki Tanaka)、永田 崇^{6,7} (Takashi Nagata)
¹ 感染研・次世代 (RCBP in the Next Generation, NIID)、² 理研・生命機能科学 (Lab. for Adv. NMR appl. and develop., RIKEN)、
³ 群馬大・理工学府 (Grad. Sch. of Sci. and Tech., Gunma Univ.)、
⁴ 筑波大・生命環境 (Inst. of Life and Environ. Sci., Univ. of Tsukuba)、
⁵ 筑波大・TARA センター (Life Sci. Center, TARA, Univ. of Tsukuba)、⁶ 京都大・エネルギー理工学研究所 (IAE, Kyoto Univ.)、
⁷ 京都大・エネルギー科学研究科 (Grad. Sch. of Energy Sci., Kyoto Univ.)
- 1P-039 MR-native SAD 法による迅速な X 線結晶構造解析**
A comprehensive strategy for quick determination of protein structures by MR-native SAD method
 ○千田 美紀 (Miki Senda)、千田 俊哉 (Toshiya Senda)
 高エネ機構・物構研・構造生物 (KEK, IMSS, SBRC)
- 1P-040 ウェルシュ菌イオタ毒素 Ib serine-clamp 変異体の単粒子構造解析および活性測定**
Single-particle structure analysis and activity measurement of *C.perfringens* iota toxin Ib serine-clamp mutant
 ○三谷 優季¹ (Yuki Mitani)、吉田 徹² (Toru Yoshida)、山田 等仁¹ (Tomohito Yamada)、
 津下 英明¹ (Hideaki Tsuge)
¹ 京産大・生命科学 (Fac. of Life Sci., Kyoto Sangyo Univ.)、² 日女大・理 (Fac. of Sci., Japan Women's Univ.)
- 1P-041 機能性グリッド EG-grid(R) を活用したクライオ電子顕微鏡の構造解析戦略**
A structural analysis strategy for cryo-electron microscopy utilizing EG-grid(R); Functional Grid
 ○谷野 弘樹 (Hiroki Tanino)
 阪大・院・薬 (Grad. Sch. Pharma.Sci., Osaka Univ.)
- 1P-042 トリコスタチン A の末端ヒドロキサム酸基の生合成に関わる酵素の基質認識機構に関する研究**
The substrate recognition mechanism of an enzyme involved in biosynthesis of the terminal hydroxamic acid group of trichostatin A
 ○永田 隆平^{1,2} (Ryuhei Nagata)、西山 真^{1,3} (Makoto Nishiyama)、葛山 智久^{1,3} (Tomohisa Kuzuyama)
¹ 東大院農 (Grad. Sch. Agri. Life Sci., The Univ. Tokyo)、² 現：東大院理 (Pres. add.: Grad. Sch. Sci., The Univ. Tokyo)、
³ 東大微生物連携機構 (CRIIM, The Univ. Tokyo)
- 1P-043 Cas9C 末端領域の網羅的構造比較**
Comprehensive structural comparison of Cas9 C-terminal regions
 ○榎本 廉 (Ren Enomoto)、佐久間 航也 (Kouya Sakuma)、太田 元規 (Motonorio Ota)、小池 亮太郎 (Ryotaro Koike)
 名古屋大学大学院 (Nagoya Univ.)
- 1P-044 細菌の細胞壁合成に必須なフリッパーゼ MurJ を阻害する抗菌ペプチド Lys^M の解析**
Analysis of the antibiotic peptide Lys^M that inhibits lipid II flipping by *E. coli* MurJ
 ○甲賀 栄貴 (Hidetaka Kohga)、Naphathip Lertpreedakorn、田中 宏幸 (Hiroyuki Tanaka)、
 宮崎 亮次 (Ryoji Miyazaki)、塚崎 智也 (Tomoya Tsukazaki)
 奈良先端大 (NAIST)

- 1P-045 SARS-CoV-2 BQ.1.1 変異株 S タンパク質 RBD による ACE2 受容体認識と抗体逃避の構造基盤**
Structural basis for ACE2 receptor recognition and antibody escape by SARS-CoV-2 BQ.1.1 mutant S protein RBD
 ○木村 香菜子¹ (Kanakano Kimura)、鈴木 干城¹ (Tateki Suzuki)、佐々木 慈英¹ (Jiei Sasaki)、G2P-Japan、佐藤 佳² (Kei Sato)、JX-Vir、橋口 隆生¹ (Takao Hashiguchi)
¹京大・医生研 (LiMe, Kyoto Univ.)、²東大・医科研 (The Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo)
- 1P-046 カルシウム結合型発光タンパク質イクオリンの動的立体構造変化の解明**
Dynamic structural analysis of the calcium-binding photoprotein aequorin
 ○森口 舞子¹ (Maiko Moriguchi)、船橋 俊也² (Toshiya Funahashi)、中津 亨¹ (Toru Nakatsu)
¹和医大・薬 (Dept. of Pharm. Sci., Wakayama Med. Univ.)、²京大院・薬 (Dept. of Pharm. Sci., Kyoto Univ.)
- 1P-047 NiFe ヒドロゲナーゼの金属クラスター構築における一酸化炭素輸送複合体の構造研究**
Structure study of transient complex involved in carbon monoxide transport for NiFe-hydrogenase maturation
 ○村木 則文¹ (Norifumi Muraki)、川本 晃大² (Akihiro Kawamoto)、栗栖 源嗣² (Genji Kurisu)、青野 重利^{3,4} (Shigetoshi Aono)
¹慶応大・理工 (Dept. of Chem., Keio Univ.)、²阪大・蛋白質研 (IPR, Osaka Univ.)、³自然科学研究機構・ExCELLS (ExCELLS, NINS)、⁴自然科学研究機構・分子研 (IMS, NINS)
- 1P-048 タンパク質の多様性の拡大：左巻き構造モチーフの生成と特徴評価**
Expanding Protein Diversity: Generating and Characterizing Left-Handed Structural Motifs
 ○平野 莉佑¹ (Riu Hirano)、ゴシュ スワガタ¹ (Swagatha Ghosh)、千見寺 浄慈¹ (George Chikenji)、小野田 浩宜² (Hiroki Onoda)、梅名 泰史² (Yasufumi Umena)、シャバス レオナルド^{1,2} (Leonard Chavas)
¹名大・工・応物 (Dept. of Appl. Phys., Nagoya Univ.)、²名大・シンクロトロン光研究センター (Synchrotron Radiation Center, Nagoya Univ.)
- 1P-049 リポソームを用いたウェルシュ菌イオタ毒素の調整**
Adjustment of *Clostridium perfringens* iota toxin using liposomes
 ○迫田 憲亮 (Noriaki Sakoda)、山田 等仁 (Tomohito Yamada)、津下 英明 (Hideaki Tsuge)
 京産大・生命科学 (Fac. of life Sci., Kyoto Sangyo Univ.)
- 1P-050 かご型金属錯体の孤立空間への閉じ込めによるタンパク質-脂質間の弱い相互作用の NMR 解析**
NMR Analysis of Protein-Lipid Weak Interactions by Confinement in Self-Assembled Metal Coordination Cages
 ○中間 貴寛¹ (Takahiro Nakama)、田所 美璃¹ (Miri Tadokoro)、Hongkun Liu¹、矢木 真穂^{2,3} (Maho Yagi-Utsumi)、加藤 晃一^{2,3} (Koichi Kato)、藤田 誠^{1,4,5} (Makoto Fujita)
¹東大・工・応化 (Dept. of Applied Chemistry, Grad. School of Engineering, The Univ. of Tokyo)、²名古屋市大・薬 (Grad. School of Pharmaceutical Sciences, Nagoya City Univ.)、³自然科学研究機構・ExCELLS (ExCELLS, NINS)、⁴自然科学研究機構・分子研 (IMS, NINS)、⁵東大・国際高等研 (UTIAS, The Univ. of Tokyo)
- 1P-051 がん特異的抗インテグリン抗体の細胞識別機構の構造基盤**
Structural basis of cancer cell-specific binding of an anti-integrin antibody
 ○有森 貴夫¹ (Takao Arimori)、佐々木 優奈¹ (Yuna Sasaki)、保仙 直毅² (Naoki Hoson)、高木 淳一¹ (Junichi Takagi)
¹阪大・蛋白質研 (IPR, Osaka Univ.)、²阪大・医 (Grad. Sch. Med., Osaka Univ.)

1P-052 東京大学 AMED-BINDS 事業におけるクライオ電子顕微鏡共用施設と支援体制
Cryo-EM facility / support system for AMED-BINDS project at the University of Tokyo

○阿久沢 偉子¹(Yoriko Akuzawa)、古屋 俊江¹(Toshie Furuya)、高岸 実来¹(Miku Takagishi)、
 Tony Wang¹、坂巻 陽一¹(Yoichi Sakamaki)、齊藤 知恵子¹(Chieko Saito)、伊藤 弓弦²(Yuzuru Itoh)、
 滝沢 由政³(Yoshimasa Takizawa)、柳澤 春明¹(Haruaki Yanagisawa)、Radostin Danev⁴、
 吉川 雅英¹(Masahide Kikkawa)

¹ 東大・医・生体構造学 (Department of Cell Biology and Anatomy, Graduate School of Medicine, The Univ. of Tokyo)、

² 東大・理・生物 (Department of Biological Sciences, Graduate School of Science, The Univ. of Tokyo)、

³ 東大・定量研 (Institute for Quantitative Bioscience, The Univ. of Tokyo)、

⁴ 東大・医・先端構造学 (Advanced Structural Studies, Graduate School of Medicine, The Univ. of Tokyo)

1P-2 ポスター展示会場 (大ホール A+B) / Poster & Exhibition (Main Hall A+B)
 6月11日(火) / June 11 (Tue.) 13:50 ~ 15:50

計算科学・情報科学 / Computation/Information science (1P-053 ~ 1P-076)

1P-053* 大規模なデータセットで学習した事前学習モデルを利用したタンパク質・リガンド結合親和性の予測
Predicting Protein-Ligand Binding Affinity Using Pre-training Models on Large-Scale Datasets

○井上 静 (Sei Inoue)、森脇 由隆 (Yoshitaka Moriwaki)、寺田 透 (Tohru Terada)

東大・農・応生工 (Dept. of Biotechnol., Grad. Sch. of Agri. and Life Sci., The Univ. of Tokyo)

1P-054* 光合成反応中心—光捕集アンテナ超分子複合体におけるユビキノン／ユビキノールの移動経路の解明
Ubiquinone/ubiquinol exchange pathway in the photosynthetic RC—LH1 supercomplex

○手代木 陽介 (Yosuke Teshirogi)、森脇 由隆 (Yoshitaka Moriwaki)、寺田 透 (Tohru Terada)

東大・院農・応生工 (Dept. of Biotechnol., Grad. Sch. of Agri and Life Science., The Univ. of Tokyo)

1P-055* タンパク質—基質複合体における QM/MM 計算高速化に向けた、大規模な QM/MM 計算データセットと機械学習ポテンシャルモデルの開発
Developing Large-Scale QM/MM Computational Datasets and Machine Learning Potential Models toward Accelerated Protein-Ligand Simulations

○大村 拓登¹(Takuto Ohmura)、森脇 由隆¹(Yoshitaka Moriwaki)、寺田 透¹(Tohru Terada)、
 瀬々 潤²(Jun Sese)

¹ 東大院農 応生工 (Dept. of Biotechnol., Grad. Sch. of Agri and Life Science., The Univ. of Tokyo)、

² ヒューマノーム研究所 (Humanome Lab., Inc.)

1P-056* CD スペクトルの3層画像化と深層学習を用いた蛋白質二次構造の予測
Prediction of protein secondary structure using three-layered imaging of circular dichroism spectroscopy and deep learning

○仲村 渠 光矢¹(Kouya Nakandakari)、福田 大樹²(Hiroki Fukuda)、中島 吉太郎²(Kichitaro Nakajima)、
 山口 圭一²(Keiichi Yamaguchi)、後藤 祐児²(Yuji Goto)、萩 博次²(Hirotsugu Ogi)

¹ 阪大・工 (Sch. Eng., Osaka Univ.)、² 阪大・工 (Grad. Sch. Eng., Osaka Univ.)

1P-057* 機能性領域を含むデノボデザイン SP11 様タンパク質の構造解析
Structural analysis of de novo designed SP11-like protein containing functional region

○三好 伯門¹(Hakuto Miyoshi)、佐久間 航也²(Kouya Sakuma)、森脇 由隆^{1,3}(Yoshitaka Moriwaki)、
 鹿島 騰真¹(Toma Kashima)、宮永 顕正^{1,3}(Akimasa Miyanaga)、寺田 透^{1,3}(Tohru Terada)、
 伏信 進矢^{1,3}(Shinya Fushinobu)

¹ 東大・農生 (Grad. Sch. Agri. and Life Sci., The Univ. of Tokyo)、² 名大・情 (Grad. Sch. Info., Nagoya Univ.)、

³ 東大・CRIIM (CRIIM)

1P-058* 不凍タンパク質様 -βヘリックス構造の網羅的 AlphaFold DB 探索
Exhaustive AlphaFold DB search for antifreeze protein-like-beta-helix structures

○小中 祐輝 (Yuki Konaka)、佐久間 航也 (Kouya Sakuma)、小池 亮太郎 (Ryotaro Koike)、
 太田 元規 (Motonori Ota)

名大院・情・複雑 (Dept. of Complex Systems Science., The Univ. of Nagoya)

- 1P-059*** たんぱく質間相互作用ネットワークを利用したかゆみ伝達経路の網羅的探索
Investigation of itch sensation pathways based on the protein-protein interaction database
 ○鶴見 康太 (Kota Tsurumi)、太田 元規 (Motonori Ota)、小池 亮太郎 (Ryotaro Koike)
 名大・情・複雑 (Dept. of Com., Grad. Sch. of Inf., Nagoya Univ.)
- 1P-060*** **Accurate Prediction of Intrinsically Disordered Protein by Protein Language Models**
 ○許 仕傑¹ (Shijie Xu)、小野田 晃^{1,2} (Akira Onoda)
¹北海道大・環境 (Grad. Sch. Env. Sci., Hokkaido Univ.)、²Faculty of Env. Earth Sci., Hokkaido Univ.
- 1P-061*** **粗視化分子動力学シミュレーションを用いた5つの受容体型チロシンキナーゼの二量体化とそれらの構造の比較**
Interface of the Homo dimer structures in the Five of Receptor of Tyrosine Kinases using Coarse-Grained Molecular Dynamics Simulations
 ○殿垣内 尚杜¹ (Naoto Tonogaito)、南 知香¹ (Chika Minami)、宮下 尚之^{1,2} (Naoyuki Miyashita)
¹近大・生物理工・生体システム (Dept. of Biol. Sys. Eng., Grad. Sch. BOST, KINDAI Univ.)、
²近畿大学・生物理工学部 (Dept. of Sys. Biol., BOST, KINDAI Univ.)
- 1P-062*** **全原子モデル MD シミュレーションを用いたβ切断酵素全長と APP 部分モデルとの相互作用**
Interaction Between Whole Structure of beta-Secretase and Juxta- / Trans- Membrane Domain of APP Using All Atom MD Simulations
 ○藤本 凌¹ (Ryo Fujimoto)、齊藤 聖奈² (Seina Saito)、柳野 賀緒梨¹ (Kaori Yanagino)、
 宮下 尚之^{1,2} (Naoyuki Miyashita)
¹近大・生物理工・生体システム (Dept. of Biol. Sys. Eng., Grad. Sch. BOST, KINDAI Univ.)、
²近大・生物理工・生命情報 (Dept. of Sys. Biol., BOST, KINDAI Univ.)
- 1P-063*** **ChemGLaM: 大規模言語モデルを用いた化合物 - タンパク質間相互作用予測**
ChemGLaM: Compound-Protein Interaction Prediction Using Large Language Models
 ○小山 拓豊¹ (Takuto Koyama)、津村 颯人¹ (Hayato Tsumura)、沖田 龍之介² (Ryunosuke Okita)、
 松本 篤幸¹ (Shigeyuki Matsumoto)、小島 諒介¹ (Ryosuke Kojima)、奥野 恭史^{1,3} (Yasushi Okuno)
¹京大・医・人健 (Grad. Sch. Med., Kyoto Univ.)、²京大・薬・薬科 (Fac. Sch. Pharm., Kyoto Univ.)、
³理研・R-CCS (RIKEN R-CCS)
- 1P-064*** **分子動力学シミュレーションにおけるヘムの汎用力場の開発に向けて**
Toward the development of a versatile force field of heme for the molecular dynamics simulation
 ○酒井 友紀葉¹ (Yukina Sakai)、近藤 寛子¹ (Hiroko X. Kondo)、仲吉 朝希² (Tomoki Nakayoshi)、
 兼松 佑典³ (Yusuke Kanematsu)、鷹野 優² (Yu Takano)、新井 博文¹ (Hirofumi Arai)
¹北見工大・工 (Fac. Eng., Kitami Inst. Tech.)、²広島大院・情報 (Grad. Sch. Info. Sci., Hiroshima City Univ.)、
³広島大院・先進理工 (Grad. Sch. Adv. Sci. Eng., Hiroshima Univ.)
- 1P-065*** **DNN による非線形モーフィング法 MOVE-DM を用いた CRISPR Type I-C の構造揺らぎ解析**
Analysis of the Structure Fluctuations in CRISPR Type I-C using the MOVE-DM that is non-linear morphing method by DNN
 ○春名 竜征¹ (Ryusei Haruna)、下河内 翔太¹ (Shota Shimogochi)、清岡 亮太¹ (Ryota Kiyooka)、
 宮下 尚之^{1,2} (Naoyuki Miyashita)
¹近大・生物理工・生体システム (Dept. of Biol. Sys. Eng., Grad. Sch. BOST, KINDAI Univ.)、
²近大・生物理工・生命情報 (Dept. of Sys. Biol., BOST, KINDAI Univ.)
- 1P-066*** **異なる Fold で類似インターフェイスを持つ二量体の解析**
Analysis of dimers with similar interfaces in different folds
 ○関根 拓巳 (Takumi Sekine)、藤原 和夫 (Kazuo Fujiwara)、池口 雅道 (Masamichi Ikeguchi)
 創大・理・生 (Dept. of Biosci., Soka Univ.)

- 1P-067*** 天然変性タンパク質 (IDP) データベース統合的分析による性質・機能の包括的解析
Comprehensive Analysis of the Properties and Functions of Intrinsically Disordered Proteins(IDP) by Integrated Database Profiling
○青木 志穂¹ (Shiho Aoki)、小野寺 航² (Wataru Onodera)、朝日 透^{3,4} (Toru Asahi)
¹ 早大・先理・先理 (Dept. of Advanced Sci. and Eng., Waseda Univ.)、² 学振PD (JSPS Postdoctoral Fellow, PD)、
³ 早大・先理 (Dept. of Science and Engineering., Waseda Univ.)、⁴ 早大・ナノ理 (Nano-Life., Waseda Univ.)
- 1P-068*** Improving Protein Complex Prediction with Multiple Decoy Structures Generated by Docking Software and Aggressive Refinement by AlphaFold2
○田中 聖也¹ (Seiya Tanaka)、古山 雅貴¹ (Masaki Koyama)、小野田 浩宜^{1,2} (Hiroki Onoda)、
レオナルド シャバス^{1,2} (Chavas Leonard)、千見寺 浄慈¹ (George Chikenji)
¹ 名大・工・応物 (Nagoya Univ.)、
² 名大・シンクロトロン光研究センター (Synchrotron Radiation Research Center, Nagoya Univ.)
- 1P-069*** 立体構造に基づくヒトリン脂質アシルトランスフェラーゼの機能と疾患の関係
Relationship between function and diseases in human phospholipid acyltransferases on the basis of protein structure
○村山 恵一郎 (Keiichiro Murayama)、土方 敦司 (Atsushi Hijikata)
東薬大・生命 (Life Sci., Tokyo Univ. Pharm. Life Sci.)
- 1P-070*** 計算化学手法を用いた PI5P4K β 及び F205L 変異体における GTP 特異性の解析
Analysis of PI5P4Kβ and F205L mutant: Elucidation of GTP specificity by computational approach
○宮川 柊兵¹ (Shuhe Miyakawa)、奥脇 弘次^{1,2} (Koji Okuwaki)、千田 俊哉³ (Toshiya Senda)、
千田 美紀³ (Miki Senda)、竹内 恒⁴ (Koh Takeuchi)、福澤 薫¹ (Kaori Fukuzawa)
¹ 阪大・薬 (Grad. Sch. Pharm. Sci., Osaka Univ.)、² JSOL (JSOL)、³ 高エネ機構物構研 (IMSS, KEK)、
⁴ 東大院薬 (Grad. Sch. Pharm. Sci., The Univ. Tokyo)
- 1P-071*** タンパク質立体構造情報を利用した化合物生成 AI による Hit-to-Lead
Protein Structure-based Hit-to-lead design using AI technology
○工藤 玄己¹ (Genki Kudo)、中島 翔太² (Shota Nakajima)、市川 裕大³ (Yudai Ichikawa)、
平尾 巧⁴ (Takumi Hirao)、吉野 龍ノ介^{4,5} (Ryunosuke Yoshino)、上島 仁² (Hitoshi Kamijima)、
広川 貴次^{4,5} (Takatsugu Hirokawa)
¹ 筑波大・理情生・数物 (Pure and Appl. Sci., Grad. Sci. Tech., Univ. Tsukuba)、
² 株式会社システム計画研究所 (Research Institute of Systems Planning, Inc.)、
³ 筑波大・医学 (Med., Med. and Health Sci., Univ. Tsukuba)、⁴ 筑波大・医学医療系 (Faculty Med., Univ. Tsukuba)、
⁵ 筑波大・TMRC (TMRC, Univ. Tsukuba)
- 1P-072*** MD 計算と FMO 計算を用いた IL-10 受容体認識機構の解析
Analysis of IL-10 receptor recognition mechanism using MD and FMO calculations
○宮岸 澄真¹ (Toma Miyagishi)、上村 憲汰² (Kenta Kamimura)、遠藤 真弓⁴ (Mayumi Endo)、
上村 みどり³ (Midori Kamimura)、森 義治⁶ (Yoshiharu Mori)、田中 成典⁵ (Shigenori Tanaka)、
奥脇 弘次¹ (Koji Okuwaki)、田 雨時¹ (Yu-Shi Tian)、高谷 大輔¹ (Daisuke Takaya)、福澤 薫¹ (Kaori Fukuzawa)
¹ 阪大・薬・量情 (Quant. Life Sci. Bioinfo., Sch. Pharm., Osaka Univ.)、² 星薬 (Sch. Pharm., Hoshi Univ.)、
³ CBI 研究機構 (CBI Res. Inst.)、⁴ PRIZM BioLab、⁵ 神大・情報 (Grad. Sch. Sys. Info., Kobe Univ.)、
⁶ 慶大・量子 (KQCC, Keio University)
- 1P-073*** 大規模言語モデルを用いた液 - 液相分離関連論文からの情報抽出手法の開発
Development of information extraction method for liquid-liquid phase separation-related literatures using large language model
○陳 佳盈 (Kayin Chin)、石田 祥一 (Shoichi Ishida)、佐々木 幸生 (Yukio Sasaki)、寺山 慧 (Kei Terayama)
横浜市・生命医 (Dept. of Med. Life Sci., The Univ. of Yokohama City)

1P-074* Structural and Computational Insights into Dynamics and Intermediate States of Orexin 2 Receptor Signaling

○横井 駿^{1,2} (Shun Yokoi)、寿野 良二³ (Ryoji Suno)、光武 亜代理¹ (Ayori Mitsutake)

¹ 明治大・理工・物理 (Department of Physics, School of Science and Technology, Meiji University)、

² スタンフォード大・医・構造生物 (Department of Structural Biology, Stanford University)、

³ 関西医科大・医化学 (Department of Medical Chemistry, Kansai Medical University)

1P-075* Structureome analysis of protein phosphorylation and kinase substrate specificity

○高柳 龍¹ (Ryu Takayanagi)、富井 健太郎² (Kentaro Tomii)、西 羽美³ (Hafumi Nishi)、黒田 真也¹ (Shinya Kuroda)

¹ 東大・理・生科 (Dept. of Biol. Sci., Sch. of Sci., The Univ. of Tokyo)、² 産総研・情報 (AIRC, AIST)、

³ 東北大・情報 (Grad. Sch. of Info. Sci., Tohoku Univ.)

1P-076* AML1 タンパク質に結合するアプタマーの構造活性相関の研究

Structure-activity relationship study of AML1 protein binding aptamer

○隈谷 龍成¹ (Ryusei Kumatani)、田中 淳¹ (Atsushi Tanaka)、坂本 泰一² (Taichi Sakamoto)、

山岸 賢司¹ (Kenji Yamagishi)

¹ 日大院・生命化学 (Graduate School of Engineering, Nihon University)、

² 千葉工大・先進工・生命科学 (Graduate School of Advanced Engineering, Chiba Institute of Technology)

1P-3 ポスター展示会場 (大ホール A+B) / Poster & Exhibition (Main Hall A+B)
6月11日 (火) / June 11 (Tue.) 13:50 ~ 15:50

機能解析・細胞・イメージング / Protein/Cellular functions, Imaging (1P-077 ~ 1P-111)

1P-077* Proposed design of agonist antibodies that induce OX40 clustering based on physicochemical analysis

○氏家 寛¹ (Kan Ujiie)、田部 亜季² (Aki Tanabe)、長門石 暁³ (Satoru Nagatoishi)、松長 遼^{1,4} (Ryo Matsunaga)、
津本 浩平^{1,3,4,5} (Kouhei Tsumoto)

¹ 東大・院工・バイオエンジニアリング (Dept. of Bioeng., Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

² 国立感染症研・エイズ研 (AIDS Res. Center, NIID)、

³ 東大・院工・医工学 RS センター (MDRRC, Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

⁴ 東大・院工・化学生命工学 (Dept. of Chem. Biotech., Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

⁵ 東大・医科研 (IMSUT, The Univ. of Tokyo)

1P-078* 筋特異的キナーゼ (MuSK) シグナリングには Ig1-2 ドメインが必須である Signaling by Muscle-Specific Kinase (MuSK) requires extracellular Ig1-2 domains

○水谷 文哉 (Fumiya Mizutani)、高木 淳一 (Junichi Takagi)

阪大・蛋白研 (IPR, Osaka Univ.)

1P-079* 化膿レンサ球菌の糖結合蛋白質 SPs1696 の特性評価 Characterization of a sugar-binding protein of *S. pyogenes*, SPs1696

○山脇 つくし¹ (Tsukushi Yamawaki)、中木戸 誠² (Makoto Nakakido)、木下 清晶² (Seisho Kinoshita)、
ホルヘ フェルナンデス² (Fernandez Jorge)、相川 知宏³ (Chihiro Aikawa)、カアベイロ ホセ⁴ (Jose Caaveiro)、
中川 一路⁵ (Ichiro Nakagawa)、津本 浩平^{1,2,6} (Kouhei Tsumoto)

¹ 東大院・工・化生 (Dept. of Chem. Biotech., Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

² 東大院・工・バイオエンジ (Dept. of Bioeng., Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

³ 帯広畜産大・畜産 (Sch. of Agri., Obihiro Univ.)、⁴ 九大・院薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kyusyu Univ.)、

⁵ 京大院・医・微生物感染分野 (Dept. of Microbiol., Sch. of Med., Kyoto Univ.)、

⁶ 東大・医科研 (Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo)

- 1P-080*** 小胞体膜タンパク質 PDZD8 の天然変性領域による液滴形成が小胞体-ミトコンドリア接触場形成を担う
Liquid-liquid phase separation through the IDR of an ER-resident protein PDZD8 induces ER-mitochondria contact sites
○長尾 崇弘¹ (Takahiro Nagao)、Christian Hoffmann²、Johannes Tromm²、Dragomir Milovanovic²、平林 祐介¹ (Yusuke Hirabayashi)
¹ 東大院・工・化学生命工学 (Dep. of Chem. and Bio., Eng., The Univ. of Tokyo)、
² Laboratory of Molecular Neuroscience, German Center for Neurodegenerative Diseases (DZNE)
- 1P-081*** HIV-1 Vif- ヒト E3 ユビキチンリガーゼ複合体がヒト抗ウイルス / がん関連因子 APOBEC3 の脱アミノ化活性に及ぼす影響
HIV-1 Vif-human E3 ubiquitin ligase complex affects deaminase activity of human anti-viral/ cancer related factor APOBEC3
○兎澤 賢太郎^{1,2} (Kentaro Tozawa)、神庭 圭佑¹ (Keisuke Kamba)、岩岡 諒^{1,2} (Ryo Iwaoka)、永田 崇^{1,2} (Takashi Nagata)、片平 正人^{1,2} (Masato Katahira)
¹ 京大・エネルギー理工学研究所 (Inst. Adv. Energy, Kyoto Univ.)、² 京大・院エネ科 (Grad. Sch. Energy Sci., Kyoto Univ.)
- 1P-082*** 哺乳類嗅覚受容体の機能発現における分子内ジスルフィド結合の重要性
Role of internal disulfide bond for functional expression of mammalian odorant receptors
○Nonoko Muto¹、武田 美樹¹ (Miki Takeda)、松波 宏明² (Hiroaki Matsunami)、養王田 正文¹ (Masafumi Yohda)、福谷 洋介¹ (Yosuke Fukutani)
¹ 農工大・院工・生命工 (Dept of Biotechnol., Tokyo Univ. of Agric and Technol.)、
² Duke 大学・医学部・MGM (Dept of Mol. Genet. and Microbiol., Duke Univ. Sch. Med.)
- 1P-083*** 氷晶結合タンパク質を導入した線虫 C. エレガンスの乾燥耐性
Enhanced Survival Rate in Caenorhabditis elegans under Desiccation Stress through Ice-Binding Protein Expression
○下瀬 大輝 (Daiki Shimose)
茨城大・理工 (Sci. and Eng., Ibaraki Univ.)
- 1P-084*** *Deinococcus grandis* 新規宿主 - ベクター系を使用した DNA 損傷応答タンパク質 Ppr1 の機能解析
Functional analysis of DNA damage responsive protein Ppr1 using a new host-vector system for *Deinococcus grandis*
○坂井 雅¹ (Miyabi Sakai)、鳴海 一成² (Issay Narumi)、養王田 正文¹ (Masafumi Yohda)
¹ 農工大・BASE・食エネ (Foodes. BASE., TUAT)、² 東洋・生命 (SL., Toyo Univ.)
- 1P-085*** 癌細胞における小胞体局在酵素の Wnt/ β -カテニン経路への寄与
Contribution of ER-localized enzyme to the Wnt/ β -catenin pathway in cancer cells
○梁井 史織^{1,2} (Shiori Yanai)、太田 悠介¹ (Yusuke Ohta)、野村 尚生³ (Takao Nomura)、前仲 勝実^{1,2,3} (Katsumi Maenaka)
¹ 北大院薬 (Fac. Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 北大院生命 (Grad. Sch. Life. Sci., Hokkaido Univ.)、
³ 九大院薬 (Fac. Pharm. Sci., Kyushu Univ.)
- 1P-086*** 高速原子間力顕微鏡を用いた単一分子イメージングのためのマウス脳からの核の効率的な単離・精製法
An Efficient Method for Isolating and Purifying Nuclei from Mice Brain for Single-Molecule Imaging Using High-Speed Atomic Force Microscopy
○近藤 颯太 (Sota Kondo)、Qiu Yujia、Sakinatus Sajidah Elma
金大・新学術・ナノ (NanoLSI, Kanazawa Univ.)
- 1P-087*** 氷結合タンパク質による低温耐性獲得の分子メカニズム
Molecular Mechanism of Acquisition of Cold Tolerance by Ice-binding Proteins
○中村 咲¹ (Saki Nakamura)、新海 陽一² (Yoichi Shinkai)、倉持 昌弘¹ (Masahiro Kuramochi)
¹ 茨大・院理工・量子線 (Grad. Sch. of Sci. Eng., Ibaraki Univ.)、
² 産総研・バイオメディカル研究部門 (Biomedical Research Institute., AIST., Tsukuba)

- 1P-088*** 化膿レンサ球菌チオエステルドメインが形成する細菌—フィブリノーゲン間共有結合の pH 応答的な動態解明
Elucidation of the pH-dependent dissociation of the TED-mediated covalent cross-link between *Streptococcus pyogenes* and human fibrinogen
 ○徳永 悠希¹ (Yuki Tokunaga)、松長 遼¹ (Ryo Matsunaga)、津本 浩平^{1,2} (Kouhei Tsumoto)
¹ 東大・工・バイオ (Dept. of Bio. Eng., The Univ. of Tokyo)、² 東大・医科研 (Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo)
- 1P-089*** アニオンチャネルロドプシンのゲート閉鎖過程で何が起こっているのか？
What is happening during the gate closing process of anion channelrhodopsin?
 ○須藤 未羽¹ (Miu Sudo)、猪子 咲陽² (Sayo Inoko)、渡邊 拓真² (Takuma Watanabe)、
 出村 誠^{1,2,3} (Makoto Demura)、菊川 峰志^{1,2,3} (Takashi Kikukawa)、塚本 卓^{1,2,3} (Takashi Tsukamoto)
¹ 北大・院・生命 (Grad. Sch. Life Sci. Hokkaido Univ.)、² 北大・理・高分子 (Sch. Sci. Hokkaido Univ.)、
³ 北大・院・先端生命 (Fac. Adv. Life Sci. Hokkaido Univ.)
- 1P-090*** アニオンチャネルロドプシンの光化学反応に対するリン酸化修飾の効果
Effect of phosphorylation modification on the photochemical reaction of anion channelrhodopsin
 ○秋本 陽菜¹ (Hina Akimoto)、大木 優也² (Yuya Ohki)、出村 誠^{1,2,3} (Makoto Demura)、
 菊川 峰志^{1,2,3} (Takashi Kikukawa)、塚本 卓^{1,2,3} (Takashi Tsukamoto)
¹ 北大・理・高分子 (Sch. Sci. Hokkaido Univ.)、² 北大・院・生命 (Grad. Sch. Life Sci. Hokkaido Univ.)、
³ 北大・院・先端生命 (Fac. Adv. Life Sci. Hokkaido Univ.)
- 1P-091*** 多剤排出トランスポーターの起源及び進化に関する研究
Exploring the origin and evolution of multidrug transporters
 ○小川 祐太¹ (Yuta Ogawa)、松浦 友亮² (Tomoaki Matsuura)、ロンゴ リアム² (Liam, M Longo)
¹ 東工大・生命理工学院・生命理工学系 (Dept. of Life Science and Technology, School of Life Science and Technology, Tokyo Tech)、
² 東工大・地球生命研究所 (ELSI, Tokyo Tech)
- 1P-092*** Biguanide 系薬剤とミトコンドリア呼吸鎖の相互作用解析
The interaction analysis between mitochondrial terminal enzyme and biguanide
 ○禹 昇完¹ (Seungwan Woo)、シュルマン ジェラルド・アイ² (Gerald I Shulman)、島田 敦広³ (Atsuhiko Shimada)
¹ 岐阜大・連農 (UGSAS., Gifu Univ.)、² イェール大・薬学 (Sch. Med., Yale Univ.)、
³ 岐阜大・応用生物 (Fac. Appl. Biol. Sci., Gifu Univ.)
- 1P-093*** Antifreeze proteins increase cell-membrane fluidity in hypothermic conditions
 ○楊 越¹ (Yue Yang)、新井 達也^{1,2} (Tatsuya Arai)、津田 栄¹ (Sakae Tsuda)、三尾 和弘² (Kazuhiro Mio)、
 佐々木 裕次^{1,2} (Yuji Sasaki)
¹ 東大・新領域・物質 (Grad Sch. of Fron. Sci., The Univ. Tokyo)、² 産総研 (AIST-Utoko)
- 1P-094*** ヒト P2X4 受容体と阻害剤の新たな相互作用様式評価系の構築
Development of new evaluation systems to characterize the interaction mode between human P2X4 receptor and its inhibitors
 ○塩見 敏生 (Toshiki Shiomi)、妹尾 暁暢 (Akinobu Senoo)、山下 智大 (Tomohiro Yamashita)、
 谷中 冴子 (Saeko Yanaka)、植田 正 (Tadashi Ueda)、津田 誠 (Makoto Tsuda)、カアベイロ ホセ (Jose Caaveiro)
 九大院・薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kyushu Univ.)
- 1P-095*** Unveiling the Mechanisms of Heat Sensitivity in Mutated Ryanodine Receptor Type 1: Implications for Malignant Hyperthermia
 ○劉 楚傑¹ (Chujie Liu)、村山 尚³ (Takashi Murayama)、小林 琢也³ (Takuya Kobayashi)、
 山澤 徳志子² (Toshiko Yamazawa)、大山 廣太郎⁴ (Kotaro Oyama)、原田 慶恵¹ (Yoshie Harada)、
 鈴木 団¹ (Madoka Suzuki)
¹ 阪大・蛋白質 (IPR, Osaka Univ.)、² 慈恵医大・医 (Jikei Univ. Sch Med)、
³ 順天堂大・細胞分子薬理 (Dept Cell Mol Pharmacol, Juntendo Univ. Grad Sch Med)、⁴ 量研・高崎研 (QST)

- 1P-096*** 計算科学および物理化学的手法に基づく OX40-OX40L 相互作用におけるホットスポットの精密解析
Precise analysis of hot spots in OX40-OX40L interaction utilizing computational science and physicochemical methods
- 西牟田 拓¹ (Hiro Nishimuta)、妹尾 暁暢¹ (Akinobu Senoo)、谷中 冴子¹ (Saeko Yanaka)、
長門石 暁² (Satoru Nagatoishi)、宗 孝紀³ (Takanori So)、植田 正¹ (Tadashi Ueda)、
津本 浩平⁴ (Kouhei Tsumoto)、カアベイロ ホセ¹ (Jose Caaveiro)
- ¹ 九大院・薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kyushu Univ.)、² 東大・医科研 (Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo)、
³ 富山大・薬 (Grad. Sch. of Med. and Pharm. Sci., Toyama Univ.)、
⁴ 東大院工・バイオエンジ (Dept. of Bioeng., Grad. Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)
- 1P-097*** Enhancing Enzymatic Breakdown of Polyethylene Terephthalate by Cutinase Tethering Hydrophobic Moiety at N-terminus
- シュボ エムディーサディクーラーマン¹ (Md Sadikur Rahman Shuvo)、小野田 晃^{1,2} (Akira Onoda)
- ¹ 北海道大学大学院環境科学院 (Grad. School of Env. Sci., Hokkaido University)、
² 北海道大学大学院地球環境科学研究院 (Faculty of Env. Earth Sci., Hokkaido Univ.)
- 1P-098*** BamE は BamA の β -バレルドメインと相互作用し、BAM 複合体の構造変化を制御することで、迅速な OMP アセンブリーを実現する
BamE supports rapid OMP assembly by interacting with the β -barrel domain of BamA and organizing the conformational change of the BAM complex
- 丸野 友希 (Yuki Maruno)、中島 由香里 (Yukari Nakajima)、エドワード ジャーマニー (Edward, M Germany)、
塩田 拓也 (Takuya Shiota)
- 宮崎大・フロンティア・RI (RI, Frontier., Miyazaki Univ.)
- 1P-099*** phialotide A 生合成経路におけるトランスエノイル還元酵素 PhiaB の X 線結晶構造解析
X-ray crystallography on PhiaB involved in phialotide A biosynthesis pathway
- 武川 祐一郎 (Yuichiro Takekawa)、瀧野 純矢² (Jyunya Takino)、藪野 奈々¹ (Nana Yabuno)、
姚 閔¹ (Min Yao)、南 篤志² (Atsushi Minami)、尾瀬 農之¹ (Toyoyuki Ose)
- ¹ 北大院・生命 (Life Science, Hokkaido Univ.)、² 北大院・理 (Science, Hokkaido Univ.)
- 1P-100*** 構造情報に基づく多価抗原に対する抗体の合理的多価設計と物理化学的解析
Rational multivalency design and physicochemical analysis of antibodies based on structural information against multimer antigen
- 横尾 尚典¹ (Takanori Yokoo)、中木戸 誠^{1,2} (Makoto Nakakido)、松田 恵子³ (Keiko Matsuda)、
木下 清晶² (Seisho Kinoshita)、アリセスク ラドウ⁴ (Radu Aricescu)、柚崎 通介³ (Michisuke Yuzaki)、
津本 浩平^{1,2,5} (Kouhei Tsumoto)
- ¹ 東大院工・化生 (Dept of Chem & Biotech, Sch of Eng, The Univ. of Tokyo)、
² 東大・院工・バイオエンジ (Dept of Bioeng, Sch of Eng, The Univ. of Tokyo)、
³ 慶應・医・生理学 (Dept of Physiol, Sch of Med, Keio Univ.)、
⁴ MRC 分子生物学研究所 神経生物学 (Dept of Neurobiol, MRC-LMB)、⁵ 東大・医科研 (Inst of Med Sci, The Univ. of Tokyo)
- 1P-101*** 好冷性メタン菌 Methanococcoides burtonii 由来 sHsp のオリゴマー構造と温度依存的解離機構の解析
Structure and function of sHsp from the psychrophilic archaeon, Methanococcoides burtonii
- 飯野 杏¹ (Kyo Iino)、小川 未真¹ (Mima Ogawa)、守島 健² (Ken Morishima)、井上 倫太郎² (Rintaro Inoue)、
杉山 正明² (Masaaki Sugiyama)、養王田 正文¹ (Masafumi Yohda)
- ¹ 農工大・工 (Dept of Biotechnol., Tokyo Univ. of Agric and Technol.)、
² 京大・複合原子力科学研究所 (Institute for Integrated Radiation and Nuclear Science, Kyoto Univ.)
- 1P-102*** Synechococcus sp. NKBG 15041c 由来の ATP 非依存的なシャペロン様タンパク質の機能解析
Functional analysis of an ATP-independent chaperone-like protein from Synechococcus sp. NKBG 15041c
- 中野 圭悟¹ (Keigo Nakano)、○上原 愛加¹ (Manaka Uehara)、真野 広大¹ (Kota Mano)、
野井 健太郎¹ (Kentaro Noi)、守島 健² (Ken Morijima)、井上 倫太郎² (Rintarou Inoue)、
杉山 正明² (Masaaki Sugiyama)、養王田 正文¹ (Masafumi Yohda)、山田 晃世¹ (Akiyo Yamada)
- ¹ 農工大・院工・生命工 (Dept. of Biotech. and Life Sci., Tokyo Univ. of Agr. and Tech.)、
² 京大・複合原子力科学研究所 (Inst. for Integrated Rad. and Nuclear Sci., Kyoto Univ.)

- 1P-103*** アセトアルデヒド応答性OR6B1の細胞膜高発現性に寄与する重要残基の同定
Identifying Key Amino Acid Residues for the Functional Expression of Acetaldehyde-Responsive OR6B1
 ○工藤 温仁 (Haruto Kudo)、金牧 怜奈 (Reina Kanemaki)、養王田 正文 (Masafumi Yohda)、
 福谷 洋介 (Yosuke Fukutani)
 農工大・院工・生命工 (Dept of Biotechnol., Tokyo Univ. of Agric and Technol.)
- 1P-104*** Hybrid-PURE system の構築とそれを利用した新規翻訳アレスト因子の同定
Construction of Hybrid PURE system for identification novel arrest peptides
 ○辻 奈緒子 (Naoko Tsuji)、藤原 圭吾 (Keigo Fujiwara)、高田 啓 (Hiraku Takada)、千葉 志信 (Shinobu Chiba)
 京産大・生命・生命 (Life Sciences, Kyoto-su)
- 1P-105*** QCM 法による DNA 修復関連タンパク質 PARP-1 の定量的機能解析
Quantitative function analysis of DNA repair-related protein PARP-1 by QCM method
 ○川人 友里¹ (Yuri Kawahito)、佐藤 有華¹ (Uka Sato)、細井 咲良¹ (Sakura Hosoi)、
 吉富 英里佳¹ (Erika Yoshitomi)、古澤 宏幸² (Hiroyuki Furusawa)、中川 由佳³ (Yuka Nakagawa)、
 根木 滋¹ (Shigeru Negi)
¹ 同女・薬・医薬 (Faculty of Pharmaceutical Sciences, DWCLA)、² 山形大院 (Yamagata Univ.)、
³ 京大化研 (Institute for Chemical Research, Kyoto Univ.)
- 1P-106*** 乳がん特異的キナーゼとアダプター蛋白質が形成する分子集合と酵素活性の相関を検証する
The validation of the correlation between molecular assemblies formed by breast tumor kinase and adaptor protein and enzymatic activity
 ○武井 梓穂¹ (Shiho Takei)、宇賀神 魁¹ (Kaito Ugajin)、中迫 純希¹ (Junki Nakasako)、
 松尾 友樹^{1,2} (Yuki Matsuo)、神田 諒² (Ryo Kanda)、川越 聡一郎⁴ (Soichiro Kawagoe)、
 齋尾 智英⁴ (Tomohide Saio)、松田 正² (Tadashi Matsuda)、前仲 勝実² (Katsumi Maenaka)、
 姚 閔^{1,3} (Min Yao)、尾瀬 農之^{1,3} (Toyoyuki Ose)
¹ 北大院・生命科学 (Grad. School. Life Sci., Hokkaido Univ.)、² 北大院・薬 (Faculty of Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、
³ 北大院・先端生命 (Faculty of Adv. Life Sci., Hokkaido Univ.)、⁴ 徳島大・先端酵素 (Inst. of Adv. Med. Sci., Tokushima Univ.)
- 1P-107*** STAT1/2 ヘテロ二量体の作製と評価
Purification and Evaluation of STAT1/2 Heterodimer
 ○飯塚 祐太¹ (Yuta Iizuka)、武川 祐一郎² (Yuichiro Takekawa)、南 未来² (Miku Minami)、
 尾瀬 農之² (Toyoyuki Ose)
¹ 北大・理 (Science, Hokkaido Univ.)、² 北大院・生命 (Life Science, Hokkaido Univ.)
- 1P-108*** 含硫黄分子にตอบสนองするヒト嗅覚受容体間で保存されているプロリン残基の機能発現への影響
The role of a conserved proline residue of human odorant receptors responding to sulfur-containing Molecules
 ○小野 友未佳 (Yumika Ono)、斉藤 遥 (Haruka Saito)、阿部 雅司 (Masashi Abe)、養王田 正文 (Masafumi Yohda)、
 福谷 洋介 (Yosuke Fukutani)
 農工大・院工・生命工 (Dept of Biotechnol., Tokyo Univ. of Agric and Technol.)
- 1P-109*** PPM ファミリーの二価金属イオン依存性に基づく新規基質同定法の開発
Development of novel substrate identification method based on the divalent metal ion dependence of PPM family
 ○小澤 孝彰¹ (Takaaki Ozawa)、中川 夏美^{1,2} (Natsumi Nakagawa)、伊藤 祥吾¹ (Shogo Ito)、
 鎌田 瑠泉^{1,2} (Rui Kamada)、坂口 和靖^{1,2} (Kazuyasu Sakaguchi)
¹ 北大・総化 (Grad. School Chem. Sci. Eng., Hokkaido Univ.)、² 北大・理・化 (Dept. of Chem., Fac. of Sci., Hokkaido Univ.)

1P-110* HIV-2 Nef タンパク質の CD3 細胞内モチーフ結合解析

Binding analysis of HIV-2 Nef protein with host CD3 intracellular motif

○古関 亮太¹ (Ryota Koseki)、小澤 偉大¹ (Idai Ozawa)、平尾 憲吾¹ (Kengo Hirao)、
田所 高志² (Takashi Tadokoro)、鷺見 正人¹ (Masato Sumi)、Andrews Sophie³、
Rowland-Jones Sarah³、黒木 喜美子¹ (Kimiko Kuroki)、前仲 勝実^{1,4,5,6} (Katsumi Maenaka)

¹ 北大院薬 (Facul. Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 山口東京理科大学 (Sanyo-Onoda City Univ.)、

³ Univ of Oxford、⁴ 北大獣研 (Inter. Inst. Zoonosis Control, Hokkaido Univ.)、

⁵ 北大ワクチン拠点 (Inst. Vaccine Res. & Devel., Hokkaido Univ.)、⁶ 九大院薬 (Facul. Pharm. Sci., Kyushu Univ.)

1P-111* 無細胞ゲノム転写系による転写終結因子のゲノムワイド解析

Effects of transcription termination elements on in vitro genome transcription

○齋藤 圭佑 (Keisuke Saito)、松井 ゆきの (Yukino Matsui)、土居 信英 (Nobuhide Doi)、藤原 慶 (Kei Fujiwara)
慶大・理工・生情 (Dept. of Biosci. and Info., Keio University)

1P-4

ポスター展示会場 (大ホール A+B) / Poster & Exhibition (Main Hall A+B)
6月11日 (火) / June 11 (Tue.) 13:50 ~ 15:50

物性・フォールディング / Biophysics, Protein Folding (1P-112 ~ 1P-139)

1P-112* アミノ酸間の静電相互作用に基づく抗体の集合体形成と熱安定性制御

Control of assembly formation and thermal stability of antibodies based on electrostatic interactions of amino acids

○野本 晃 (Akira Nomoto)、白木 賢太郎 (Kentaro Shiraki)
筑波大・数理 (Pure and Appl. Sci., Univ. Tsukuba)

1P-113* スーパーチャージによる抗体の安定性と相互作用パラメータの制御の探究

Exploring the potential of supercharging to control antibodies' stability and interaction parameters

○笠原 慶亮¹ (Keisuke Kasahara)、平尾 篤紀² (Atsunori Hirao)、黒田 大祐³ (Daisuke Kuroda)、
カアベヒロ ホセ⁴ (Jose Caaveiro)、山脇 つくし² (Tsukushi Yamawaki)、中木戸 誠^{1,2} (Makoto Nakakido)、
長門石 暁⁵ (Satoru Nagatoishi)、津本 浩平^{1,2,5,6} (Kouhei Tsumoto)

¹ 東大院・工・バイオエンジニア (Dept. of Bioeng., Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

² 東大院・工・化生 (Dept. of Chem. Biotech., Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

³ 感染症研・治ワク (Res. Ctr. Drug Vaccine Dev., NIID)、⁴ 九大院・薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kyushu Univ.)、

⁵ 東大院・工・医工学RSセンター (MDRRC, Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

⁶ 東大・医科研 (Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo)

1P-114* 3D ドメインスワッピングにより 4 量化する抗体軽鎖の熱力学的解析と構造解析に関する研究

Structural and thermodynamic analysis of antibody light chain tetramer formation through 3D domain swapping

○酒井 隆裕¹ (Takahiro Sakai)、山口 将平¹ (Shohei Yamaguchi)、真島 剛史¹ (Tsuyoshi Mashima)、
小林 直也¹ (Naoya Kobayashi)、段 練² (Lian Duan)、藤木 涼² (Ryo Fujiki)、Hengphasatporn Kowit²、
重田 育照² (Yasuteru Shigeta)、緒方 英明³ (Hideaki Ogata)、一二三 恵美⁴ (Emi Hifumi)、
宇田 泰三^{4,5} (Taizo Uda)、廣田 俊¹ (Shun Hirota)

¹ 奈良先端大・先端科技 (Graduate School of Science and Technology, NAIST)、

² 筑波大・計算科学研究センター (Cent. Comp. Sci., Univ. Tsukuba)、³ 兵庫県大・院理 (Grad. Sch. Sci., Univ. Hyogo)、

⁴ 大分大・研究マネジメント機構 (Inst. Res. Mgmt., Oita Univ.)、⁵ 九州先端研・ナノテク (Nano-tech Lab., ISIT)

1P-115* 小胞体局在酵素の相分離制御に対する活性酸素種および活性窒素種の影響

Effects of ROS/RNS on the droplet formation of the ER-resident enzyme

○渡部 マイ¹ (Mai Watabe)、金村 進吾² (Shingo Kanemura)、鈴木 琴乃^{1,2} (Kotono Suzuki)、
坂 和範³ (Kazunori Ban)、佐藤 伸一² (Shinichi Sato)、松崎 元紀⁴ (Motonori Matsusaki)、
稲葉 謙次⁵ (Kenji Inaba)、中林 孝和³ (Takakazu Nakabayashi)、李 映昊⁶ (Young-Ho Lee)、
齋尾 智英⁴ (Tomohide Saio)、奥村 正樹^{1,2} (Masaki Okumura)

¹ 東北大・生命 (Grad. Sch. of Life Sci., Tohoku Univ.)、² 東北大・学際研 (FRIS, Tohoku Univ.)、

³ 東北大・薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Tohoku Univ.)、⁴ 徳大・先端酵素研 (IAMS, Tokushima Univ.)、

⁵ 九大・生医研 (MIB, Kyushu Univ.)、⁶ 韓国基礎科学支援研究院 (KBSI, South Korea)

- 1P-116*** PDI ファミリー酵素による前駆体タンパク質プロウログアニリンのフォールディング制御機構の解明
Understanding the mechanism by which PDI family members control oxidative folding of prouroguanylin, a precursor protein
 ○石井 琴音¹ (Kotone Ishii)、金村 進吾¹ (Shingo Kanemura)、島本 茂³ (Shigeru Shimamoto)、
 久米田 博之⁴ (Hiroyuki Kumeta)、日高 雄二³ (Yuji Hidaka)、稲葉 謙次⁵ (Kenji Inaba)、
 齋尾 智英⁶ (Tomohide Saio)、奥村 正樹^{1,2} (Masaki Okumura)
¹ 東北大・学際科学フロンティア研、東北大・生命 (FRIS, Tohoku Univ. Grad. Sch. of Life Sci., Tohoku Univ.)、
² 東北大・生命 (Grad. Sch. of Life Sci., Tohoku Univ.)、³ 近大・総合理工 (Fac. of Sci. and Eng., Kindai Univ.)、
⁴ 北大・先端生命 (Fac. of Adv. Life Sci., Hokkaido Univ.)、⁵ 九大・生医研 (MIB, Kyushu Univ.)、
⁶ 徳大・先端酵素研 (Inst. of Adv. Med. Sci., Tokushima Univ.)
- 1P-117*** サンゴ由来レクチン AML-I の活性制御と多量体構造の解析
Regulation of activity and multimeric structure of coral lectin AML-I
 ○高橋 優希 (Yuki Takahashi)、郷田 秀一郎 (Shuichiro Goda)
 創価大・理工・生命理学 (Dept. of Biosci., Grad. Sch. of Sci. and Eng., Soka Univ.)
- 1P-118*** 小型超音波アミロイド生成装置の開発とアミロイド線維形成に関する研究
Development of miniaturized sonoreactor for amyloid fibril assays and study on amyloid fibril formation by ultrasonication
 ○近藤 千菜 (Tina Kondo)、中島 吉太郎 (Kichitaro Nakajima)、山口 圭一 (Keiichi Yamaguchi)、
 後藤 祐児 (Yuji Goto)、荻 博次 (Hirotsugu Ogi)
 阪大・工 (Grad. Sch. Eng., Osaka Univ.)
- 1P-119*** α 1- アンチトリプシン folding 中間体の構造に基づくケミカルシャペロンの開発
Development of chemical chaperones based on the structure of folding intermediates of alpha1-antitrypsin
 ○長谷川 楓輔 (Fusuke Hasegawa)、井上 葉里 (Siori Inoue)、A. Lomas David、恩田 真紀 (Maki Onda)
 大阪公立大・理学・生物化学 (Dept. of Biol. Chem., Osaka Met. Univ.)
- 1P-120*** 1,6- ヘキサンジオール中でのアミノ酸誘導体の熱力学的安定性
Thermodynamic stability of amino acid derivatives in 1,6-hexanediol
 ○小田 春菜^{1,2} (Haruna Oda)、和田 百代² (Momoyo Wada)、白木 賢太郎¹ (Kentaro Shiraki)、
 平野 篤² (Atsushi Hirano)
¹ 筑波大・数理 (Pure-&-Appl.-Sci., Univ. Tsukuba)、² 産総研・ナノ材料 (NMRI, AIST)
- 1P-121*** 超好熱アーキア *Sulfolobus acidocaldarius* 由来アルコール脱水素酵素の機能と耐熱性の解明
Elucidation of the function and thermostability of alcohol dehydrogenase from hyperthermophilic Archaea *Sulfolobus acidocaldarius*
 ○岩村 陽子 (Yoko Iwamura)、郷田 秀一郎 (Shuichiro Goda)
 創価大・理工・生命理学 (Dept. of Biosci., Grad. Sch. of Sci. and Eng., Soka Univ.)
- 1P-122*** キラル特性を持つオリゴチオフェンを用いたインスリンアミロイド凝集体の構造多型解析
Chiral structural polymorphism analysis of insulin amyloid using chiroptical pentameric oligothiophenes
 ○渡辺 嵩大¹ (Takahiro Watanabe)、リンドグレン ミカエル² (Mikael Lindgren)、
 ビオーク リンナ³ (Linnea Bjork)、ハマストロム パー³ (Per Hammarstrom)、
 ニルソン ピーター³ (K. Peter R Nilsson)、佐藤 久子¹ (Hisako Sato)、座古 保¹ (Tamotsu Zako)
¹ 愛媛大院・理工 (Ehime Univ.)、² ノルウェー科学技術大 (NTNU)、³ リンショーピン大 (Linkoping Univ.)
- 1P-123*** 酵母によるジベレリン制御タンパク質の組換え発現におけるジスルフィドミスペア分子種の異常分泌
Abnormal secretion of disulfide-mispaired molecular species in the recombinant expression of gibberellin-regulated protein by yeast
 ○花岡 杏美¹ (Ami Hanaoka)、吉川 一歩¹ (Ichihō Yoshikawa)、飯塚 友菜¹ (Tomona Iizuka)、
 鄭 靖康¹ (Jingkang Zheng)、中嶋 友里枝¹ (Yurie Nakajima)、石原 颯馬² (Soma Ishihara)、
 久米田 博之¹ (Hiroyuki Kumeta)、熊木 康裕¹ (Yasuhiro Kumaki)、相沢 智康^{1,2} (Tomoyasu Aizawa)
¹ 北大・院生命 (Grad. Sch. of Life Sci., Hokkaido Univ.)、² 北大・理 (Sch. of Sci., Hokkaido Univ.)

- 1P-124*** 物理化学的パラメータを用いた抗体の合理的安定性予測法の開発
Comprehensive prediction of antibody stability using physicochemical parameters
○岡田 梨穂¹ (Rio Okada)、柴田 耕生² (Kosei Shibata)、鳥巢 哲生¹ (Tetsuo Torisu)、内山 進^{1,2} (Susumu Uchiyama)
¹ 阪大・工. (Dept. of Eng., Osaka Univ.), ² 株式会社ユー・メディコ (U-Medico Inc.)
- 1P-125*** IgG 分子の Fab-Arm-Exchange の分子メカニズムの探査
Exploration of the molecular mechanism of IgG Fab-Arm-Exchange
○山本 航大 (Kota Yamamoto)、谷中 冴子 (Saeko Yanaka)、妹尾 暁暢 (Akinobu Senoo)、
カアベイロ ホセ (Jose M.M. Caaveiro)
九大・薬・創薬 (Faculty of Phar. Sci., Kyushu Univ.)
- 1P-126*** アデノ随伴ウイルスのゲノム放出とカプシド構造変化の関係
Relationship between genome release and capsid structural change of adeno-associated virus
○下条 咲希¹ (Saki Shimajo)、山口 祐希¹ (Yuki Yamaguchi)、池田 智彦¹ (Tomohiko Ikeda)、
ロカフォルト マークアレン、ヴェルガラ¹ (Mark Allen, Vergara Rocafort)、津中 康央¹ (Yasuo Tsunaka)、
福原 充子^{1,2} (Mitsuko Fukuhara)、鳥巢 哲生¹ (Tetsuo Torisu)、内山 進^{1,3} (Susumu Uchiyama)
¹ 阪大・工. (Grad. Sch. of Eng., Osaka Univ.), ² ユー・メディコ (U-Medico Inc.), ³ 生命創成探究センター (ExCELLS)
- 1P-127*** 海洋ラン藻由来 DUF2854 domain containing protein OX1 の酸化ストレス耐性誘導機構の解析
study on the mechanism of oxidative stress tolerance induction by DUF2854 domain containing protein OX1 from marine cyanobacteria
○後藤 賢介 (Kensuke Goto)、真野 広大 (Kota Mano)、仲松 洸弥 (Kouya Nakamatu)、門脇 祥平 (Syohei Kadowaki)、
養王田 正文 (Masafumi Yohda)、山田 晃世 (Akiyo Yamada)
農工大・工・生命工 (Dept. of Biotechnology and Life Science, Tokyo Univ. of Agriculture and Technology)
- 1P-128*** PDI family が制御する小胞体内プロインスリンの品質管理機構の理解
Elucidating the proinsulin quality control mechanism by PDI family
○倉持 円来^{1,2} (Tsubura Kuramochi)、荒井 堅太³ (Kenta Arai)、稲葉 謙次⁴ (Kenji Inaba)、
金村 進吾¹ (Shingo Kanemura)、奥村 正樹^{1,2} (Masaki Okumura)
¹ 東北大・学際科学フロンティア研 (FRIS, Tohoku Univ.), ² 東北大・生命 (Grad. Sch. of Life Sci., Tohoku Univ.),
³ 東海大・理 (Sch. of Sci., Tokai Univ.), ⁴ 九大・生医研 (MIB, Kyushu Univ.)
- 1P-129*** 高濃度タンパク質溶液の凝集抑制剤
Aggregation suppressor at high concentration of protein
○飯島 萌 (Moe Iijima)、野本 晃 (Akira Nomoto)、白木 賢太郎 (Kentaro Shiraki)
筑波大院・数理 (Pure & Appl. Sci., Univ. Tsukuba)
- 1P-130*** 分子クラウディング環境下での超分子ミセルによる酸化的フォールディング促進
Promotion of oxidative protein folding under a cell-like crowding environment by supramolecular micelles
○喜多村 真衣¹ (Mai Kitamura)、村岡 貴博^{1,2} (Takahiro Muraoka)
¹ 東農工大・工・応化. (Graduate School of Engineering, Tokyo University of Agriculture and Technology),
² 神奈川産技総研 (KISTEC)
- 1P-131*** システイン残基の酸化が制御する SOD1 タンパク質の変性メカニズム
Misfolding Mechanism of SOD1 regulated by Cysteine Oxidation
○吉田 萌乃¹ (Moeno Yoshida)、佐藤 綾香² (Ayaka Sato)、田尻 道子³ (Michiko Tajiri)、堀 優太² (Yuta Hori)、
明石 知子³ (Satoko Akashi)、重田 育照² (Yasuteru Shigeta)、古川 良明¹ (Yoshiaki Furukawa)
¹ 慶応大・理工 (Dept. of Chem., Keio Univ.), ² 筑波大・CCS (CCS, Univ. Tsukuba),
³ 横浜市大・生命医 (Grad. Sch. Med. Life Sci., Yokohama City Univ.)
- 1P-132*** A simplified technique for His-tagged recombinant protein purification by Ni (II)-induced precipitation
○Md. Din Islam、黒田 裕 (Yutaka Kuroda)
Dept. of Biotech. & Life Sci., Grad. Sch. of Eng., TUAT

1P-133* Escherichia coli-expression of a natively folded influenza H1N1-PR8 Receptor Binding Domain (RBD)

○ Thao, L.N. Tu¹、Tharangani Rathnayaka¹、加藤 敏代² (Toshiyo Kato)、水谷 健二³ (Kenji Mizutani)、早乙女 友規⁴ (Tomonori Saotome)、野口 恵一² (Keiichi Noguchi)、山崎 俊夫⁵ (Toshio Yamazaki)、城所 俊一⁴ (Shun-ichi Kidokoro)、黒田 裕¹ (Yutaka Kuroda)

¹Dept. of Biotech. & Life Sci., TUAT, ²NMR Grp., Smart-Core-Facility Promotion Org., TUAT,

³Grad. Sch. of Med. Life Sci., Yokohama City Univ.,

⁴Dept. of Mater. Sci. & Bioeng., Nagaoka Univ. of Tech.,

⁵RIKEN Cent. for Biosyst. Dyn. Res.

1P-134* Aggregates of a mAb caused by agitation induced a high immune response than caused by heating

○ Sanjida Yesmin¹、M. Monirul Islam²、Md. Din Islam¹、鶴井 博理³ (Hiromichi Tsurui)、松岡 周二³ (Shuji Matsuoka)、黒田 裕¹ (Yutaka Kuroda)

¹Dept. of Biotech. & Life Sci., Grad. Sch. of Eng., TUAT, ²Dept. of Bio. & Mol. Biol., Fac. of Biol. Sci., CU,

³Dept. of Immu. Diag., Fac. of Med., Junt. Univ. Sch. of Med.

1P-135* IgG1 の構造形成と機能においてヒンジ領域が担う役割の探究

Exploring the role of the hinge region in IgG1 structure and function

○小関 悠希¹ (Yuuki Koseki)、山口 祐希² (Yuki Yamaguchi)、青山 道彦³ (Michihiko Aoyama)、多田 稔³ (Minoru Tada)、妹尾 暁暢¹ (Akinobu Senoo)、石井 明子³ (Akiko Ishii)、内山 進^{2,5} (Susumu Uchiyama)、内橋 貴之^{4,5} (Takayuki Uchihashi)、加藤 晃一⁵ (Koichi Kato)、谷中 冴子^{1,5} (Saeko Yanaka)、カアベイロ ホセ¹ (Jose M. M. Caaveiro)

¹九大院・薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kyushu Univ.), ²阪大院・工 (Grad. Sch. of Eng., Osaka Univ.),

³国立医薬品食品衛生研究所・生物薬品部 (NIHS), ⁴名大院・理 (Grad. Sch. of Sci., Nagoya Univ.),

⁵自然科学研究機構生命創成探究センター (ExCELLS)

1P-136 小胞体局在酵素 ERp57 を中心としたタンパク質品質管理機構の解明

Functional interactions between ERp57 and other PDI family members to guide protein folding

○武内 愛留^{1,2} (Airu Takeuchi)、松崎 元紀³ (Motonori Matsusaki)、齋尾 智英³ (Tomohide Saio)、稲葉 謙次⁴ (Kenji Inaba)、金村 進吾¹ (Shingo Kanemura)、奥村 正樹^{1,2} (Masaki Okumura)

¹東北大・学際研 (FRIS, Tohoku Univ.), ²東北大・生命 (Grad. Sch. of Life Sci., Tohoku Univ.),

³徳大・先端酵素研 (IAMS, Tokushima Univ.), ⁴九大・生医研 (MIB, Kyushu Univ.)

1P-137 演題取り下げ /Withdrawn

1P-138 蛍光分光法による SARS-CoV-2 の N タンパク質と RNA の相互作用解析

Characterization of the interaction of SARS-CoV-2 N protein with RNA by fluorescence spectroscopy

○伊藤 優志^{1,2,3} (Yuji Itoh)、Shrutarshi Mitra¹、金田 直也^{1,2} (Naoya Kaneda)、片山 拓也^{1,3} (Takuya Katayama)、高橋 聡^{1,2,3} (Satoshi Takahashi)

¹東北大・多元研 (IMRAM, Tohoku Univ.), ²東北大・理・化 (Dept. Chem., Grad. Sch. Sci., Tohoku Univ.),

³東北大・生命 (Grad. Sch. Life Sci., Tohoku Univ.)

1P-139 疎水性クロマトグラフィによる薬物抗体結合比の分析 ～ドラッグリンカーの物性の影響～

Impact of Drug Linker Properties on Analysis of Drug to Antibody Ratio (DAR) by Hydrophobic Interaction Chromatography

○三村 真大 (Masahiro Mimura)、草間 大志 (Taishi Kusama)、中江 隆豊 (Ryuto Nakae)、平倉 穰 (Yutaka Hirakura)
アステラス製薬・CMC ディベロップメント・物性研 (ARL, CMC-D, Astellas Pharma Inc.)

| プロテオーム・蛋白質工学 / Proteomics/Protein engineering (1P-140 ~ 1P-150)

1P-140 抗体断片に対するトランスグルタミナーゼ、及び SH-PEG-NH2 リンカーを活用した体外診断薬作製用新規位置選択的標識方法**A Novel MTGase-Based Chemo-Enzymatic Conjugation Methodology of Antibody Fragments Utilizing SH-PEG-NH2 Linker Applicable for IVD Reagents**

○佐藤 晴哉¹ (Haruya Sato)、片岡 由起子¹ (Yukiko Kataoka)、西川 洋一¹ (Youichi Nishikawa)、岡野 大毅¹ (Daiki Okano)、永井 麻実¹ (Mami Nagai)、内藤 克紀¹ (Katsuki Naitoh)、田岡 万悟² (Masato Taoka)、山内 芳雄² (Yoshio Yamauchi)

¹ シスメックス株式会社 (Sysmex Corporation)、

² 東京都立大学理学部化学科 (Department of Chemistry, Graduate School of Science, Tokyo Metropolitan University)

1P-141 翻訳促進ペプチドによる翻訳アレスト解除とその速度論的解析**Cancellation of translational arrest by the translation enhancing peptide and its kinetic analysis**

○西河 佑馬 (Yuma Nishikawa)、藤川 璃子 (Riko Fujikawa)、加藤 晃代 (Teruyo Kato)、中野 秀雄 (Hideo Nakano)
名大・農・応生 (Appl. Biosci., Grad Sch. of Bioagr. Sci., Nagoya Univ.)

1P-142 再構成型無細胞タンパク質合成系 (PURE[®]flex) を用いた標的タンパク質の N 末端ミリストイル化の効率向上**Improving efficiency of N-Terminal myristoylation of target proteins using a reconstituted cell-free protein synthesis system**

○松本 令峯¹ (Rena Matsumoto)、丹羽 達也² (Tatsuya Niwa)、嶋根 康弘³ (Yasuhiro Shimane)、久野 香³ (Kaori Kuno)、車 兪てつ³ (Yutetsu Kuruma)、田口 英樹² (Hideki Taguchi)、金森 崇¹ (Takashi Kanamori)

¹ ジーンフロンティア (株) (GeneFrontier Corp.)、² 東工大・研究院・細胞センター (Cell Biology Center, IIR, Tokyo Tech)、

³ 海洋研究開発機構・超先鋭研究開発プログラム (X-star, JAMSTEC)

1P-143 新規アフィニティーリガンドを利用した AAV9 精製法の開発と定量システムの構築**Development of AAV9 purification method and quantification system using novel affinity ligands**

○三原 恵美子¹ (Emiko Mihara)、相川 春夫² (Haruo Aikawa)、Teerapat Anananuchatkul²、菅 裕明² (Hiroaki Suga)、高木 淳一¹ (Junichi Takagi)

¹ 阪大蛋白研 (Institute for Protein Research, Osaka Univ.)、

² 東京大学理学部化学科 (Department of Chemistry, School of Science The Univ. of Tokyo)

1P-144 定量プロテオミクスのためのシステイン特異的な修飾法の開発**Exploring a novel cysteine-specific modification technique for the quantitative proteomics**

○須藤 愛莉咲¹ (Arisa Suto)、小寺 義男^{1,2} (Yoshio Kodera)、松井 崇^{1,2} (Takashi Matsui)

¹ 北里大院・理 (Grad. Sch. Sci., Kitasato Univ.)、

² 北里大・理・疾患プロテオミクスセンター (Center for Disease Proteomics, Sch. Sci., Kitasato Univ.)

1P-145 Native な抗体から調製した Fab' フラグメントにおける定量的かつ位置選択的な標識方法の確立**Novel site-selective & quantitative conjugation technology for Fab' fragment from native antibody**

○内藤 克紀 (Katsuki Naitoh)、片岡 由起子 (Yukiko Kataoka)、岡野 大毅 (Daiki Okano)、青木 隼人 (Hayato Aoki)、波多野 絢香 (Ayaka Hatano)、増田 裕輝 (Yuki Masuda)、永井 麻美 (Mami Nagai)、益子 櫻 (Sakura Masuko)、佐藤 晴哉 (Haruya Sato)

シスメックス株式会社 (Sysmex Corporation)

1P-146 人工タンパク質ケージ TIP60 のルシフェラーゼ様活性の評価**Luciferase-like activity of an artificial protein cage, TIP60**

○川上 了史 (Norifumi Kawakami)、濱田 泰豪 (Yoshihide Hamada)、宮本 憲二 (Kenji Miyamoto)

慶應大・理工 (Dept. of Biosci. Info., Keio Univ.)

1P-147 非ウイルス性蛋白質ケージへの多様なカーゴ分子の封入**In vitro packaging of various cargo molecules into a non-viral protein cage**○田島 研也¹ (Kenya Tajima)、酒井 雄介² (Yusuke Sakai)、寺坂 尚紘¹ (Naohiro Terasaka)¹ 東工大・地球生命研 (ELSI, Tokyo Tech.)、² 理研・生命機能科学研究センター (BDR, RIKEN)**1P-148 抗ビオチンウサギモノクローナル抗体の単離とそれを利用したビオチン化タンパク質解析技術の開発****Isolation of anti-biotin rabbit monoclonal antibody and development of biotinylated protein analysis technique using the antibody**○浜田 実奈¹ (Mana Hamada)、徳永 聡¹ (Soh Tokunaga)、山田 航大¹ (Kohdai Yamada)、竹田 浩之² (Hiroyuki Takeda)、小澤 龍彦³ (Tatsuhiko Ozawa)、野澤 彰¹ (Akira Nozawa)、澤崎 達也¹ (Tatsuya Sawasaki)¹ 愛媛大学プロテオサイエンスセンター無細胞生命科学部門 (Division of Cell-Free Sciences, Proteo-Science Center, Ehime University)、² 愛媛大学プロテオサイエンスセンタープロテオ創薬科学部門 (Division of Proteo-Drug-Discovery Sciences, Proteo-Science Center, Ehime University)、³ 山山大学学術研究部医学系免疫学 (Department of Immunology, Faculty of Medicine, Academic Assembly, University of Toyama)**1P-149 イネ種子を用いた医薬品抗体産生技術の開発****Technological Development of Pharmaceutical Antibody Production from Rice Seeds**○澤崎 佑太¹ (Yuta Sawasaki)、加藤 洋香² (Yoko Kato)、東山 陽香¹ (Haruka Higashi)、山田 航大¹ (Kohdai Yamada)、森田 重人² (Shigeto Morita)、増村 威宏² (Takehiro Masumura)、野澤 彰¹ (Akira Nozawa)、澤崎 達也¹ (Tatsuya Sawasaki)¹ 愛媛大学 プロテオサイエンスセンター (Proteo-Science Center, Ehime Univ.)、² 京都府立大学大学院生命環境科学研究科 (Grad. Sch. Life and Enviro. Sci., Kyoto Pref. Univ.)**1P-150 トリスルフィド架橋フェレドキシン 2 量体の構築とその形成機構****Construction of a trisulfide dimer of ferredoxin from *Thermotoga maritima* and its formation mechanism**○真島 剛史¹ (Tsuyoshi Mashima)、田中 萌奈美¹ (Monami Tanaka)、Binti Azmi Nur Afiqah¹、山中 優¹ (Masaru Yamanaka)、緒方 英明² (Hideaki Ogata)、廣田 俊¹ (Shun Hirota)¹ 奈良先端大・先端科技・物質創成 (Div. Mat. Sci., Grad Sch. of Sci. and Tech., NAIST)、² 兵庫県立大・理 (Grad. Sch. of Sci., Univ. of Hyogo)