

2P-1

ポスター展示会場（大ホール A+B）/ Poster & Exhibition (Main Hall A+B)
6月12日(水) / June 12 (Wed.) 13:45 ~ 15:45

構造生物学 / Structural biology (2P-001 ~ 2P-051)

2P-001* Structure analysis of in silico-designed SARS-CoV-2 monoclonal antibody based on UT28K

- 陳 鐸安¹ (Liuan Chen)、小澤 龍彥^{2,3} (Tatsuhiko Ozawa)、池田 幸樹⁴ (Yoshiki Ikeda)、鈴木 理滋^{5,6} (Rigel Suzuki)、星野 温⁷ (Atsushi Hoshino)、野口 映⁸ (Akira Noguchi)、喜多 俊介¹ (Shunsuke Kita)、安樂 佑樹¹ (Yuki Anraku)、五十嵐 笑子⁹ (Emiko Igarashi)、佐賀 由美子⁹ (Yumiko Saga)、稲崎 優子⁹ (Noriko Inasaki)、民西 俊太⁷ (Shunta Taminishi)、佐々木 慶英¹⁰ (Jiei Sasaki)、桐田 雄平¹¹ (Yuhei Kirita)、福原 秀雄^{1,6} (Hideo Fukuhara)、前仲 勝実^{1,6,12,13} (Katsumi Maenaka)、橋口 隆生¹⁰ (Takao Hashiguchi)、福原 崇介^{5,6,14,15} (Takasuke Fukuhara)、平林 健一⁸ (Kenichi Hirabayashi)、谷 英樹⁹ (Hideki Tani)、岸 裕幸^{2,3} (Hiroyuki Kishi)、仁井見 英樹^{2,16} (Hideki Niimi)
- ¹ 北大・薬・機能 (Biomolecular Science, Hokkaido Univ.).
- ² 富山大・術研究部医学系・免疫 (Immunology, Med., Academic Assembly, Toyama Univ.).
- ³ 富山大・先端抗体医薬開発センター (Center for Advanced Antibody Drug Development, Toyama Univ.).
- ⁴ 京都大・アイセムス (Integrated Cell-Material Sciences, Kyoto Univ.).
- ⁵ 北大・医・病原微生物学 (Microbiology and Immunology, Med., Hokkaido Univ.).
- ⁶ 北大・ワクチン研究開発拠点 (Vaccine Research and Development (HU-IVReD), Hokkaido Univ.).
- ⁷ 京都府立医科大・医・循環器内科 (Cardiovascular Med., Medical Science, Kyoto Prefectural Univ. of Med.).
- ⁸ 富山大・医・病理診断学 (Diagnostic Pathology, Med., Academic Assembly, Toyama Univ.).
- ⁹ 富山衛生研・ウイルス部 (Virology, Toyama Inst. of Health).
- ¹⁰ 京大・医学物研・ウイルス (Medical Virology, Life and Medical Sciences, Kyoto Univ.).
- ¹¹ 京都府立医科大・医・腎臓内科 (Nephrology, Medical Science, Kyoto Prefectural Univ. of Medi.).
- ¹² 北大・薬・創薬科学研究教育センター (Center for Research and Education on Drug Discovery, Pharmaceutical Sciences, Hokkaido Univ.).
- ¹³ 北大・人獣共通感染症国際共同研 (Pathogen Structure, International Insti. for Zoonosis Control, Hokkaido Univ.).
- ¹⁴ 大阪大・微生物病研・ウイルス制御学 (Virus Control, Microbial Diseases, Osaka Univ.).
- ¹⁵ 国立研究開発法人日本医療研究開発機構 (AMED-CREST, Japan Agency for Medical Research and Development (AMED)).
- ¹⁶ 富山大・臨床分子病態検査学 (Clinical Laboratory and Molecular Pathology, Faculty of Medicine, Academic Assembly, Toyama Univ.).

2P-002* Kai 時計タンパク質の複合体分布と概日振動の相関の解明

Elucidation of correlation between distribution of Kai clock protein complex and its circadian oscillation

- 坂本 璃月¹ (Ritsuki Sakamoto)、守島 健² (Ken Morishima)、清水 将裕² (Masahiro Shimizu)、井上 優太郎² (Rintaro Inoue)、杉山 正明² (Masaaki Sugiyama)
- ¹ 京大院理 (Grad. Sch. of Sci. Kyoto Univ.)、² 京大複合研 (KURNS, Kyoto Univ.)

2P-003* 時計タンパク質 KaiC における脱リン酸化が誘起するアロステリック応答の分子動力学解析

Molecular dynamics analysis of the allosteric response to dephosphorylation in clock protein KaiC

- 照井 雄大¹ (Yudai Terui)、上野 力樹¹ (Riki Ueno)、足立 航輝¹ (Koki Adachi)、森 俊文² (Toshifumi Mori)、秋山 修志^{3,4} (Shuji Akiyama)、高野 光則¹ (Mitsunori Takano)
- ¹ 早大・先進理工 (Grad. Scl. Adv. Sci. & Eng., Waseda Univ.)、² 九大・先導研 (Inst. Mat. Chem. Eng., Kyushu Univ.)、³ 協奏分子システム研究センター・分子研 (CIMos, IMS, NINS)、⁴ 総研大 (SOKENDAI)

2P-004* マイクロ流路デバイスを用いた化合物スクリーニング系の構築

Construction of ligand screening system using a new microfluidic device

- 小林 ことり^{1,2} (Kotori Kobayashi)、上野 剛² (Go Ueno)、真栄城 正寿³ (Masatoshi Maeki)、西岡 晶子³ (Akiko Nishioka)、坂井 直樹⁴ (Naoki Sakai)、河村 高志⁴ (Takashi Kawamura)、松浦 澄明² (Hiroaki Matsuura)、竹下 浩平^{1,2} (Kohei Takeshita)、吾郷 日出夫^{1,2} (Hideo Ago)、山本 雅貴^{1,2} (Masaki Yamamoto)
- ¹ 兵庫大・院理・生命 (University of Hyogo)、² 理研・SPring-8 (RIKEN SPring-8 Center)、³ 北大・院工 (Hokkaido University)、⁴ JASRI

2P-005* 原核生物由来 RNase H2 の構造機能解析

Structural and functional analysis of two prokaryotic RNase H2

○千葉 涼平 (Ryohei Chiba)、石川 由紀恵 (Yukie Ishikawa)、石塚 祐基 (Yuki Ishizuka)、上原 了 (Ryo Uehara)、
松村 浩由 (Hiroyoshi Matsumura)

立命館大・院生命 (Grad. Sch. Life Sci., Ritsumeikan Univ.)

2P-006* 新規 MERS 治療薬 DPP4 デコイにおける高親和性変異導入効果の構造基盤の解明

Structural analysis of an engineered DPP4 decoy that neutralizes MERS coronavirus

○田中 温也¹ (Haruya Tanaka)、高木 淳一¹ (Junichi Takagi)、星野 温² (Atsushi Hoshino)、
有森 貴夫¹ (Takao Arimori)

¹ 阪大・蛋白研 (IPR, Osaka Univ.)、² 京都府立医科大・医 (Kyoto Pref. Univ. of Med.)

2P-007* 新規抗がん剤開発を目的とした IDO2 の結晶構造解析

Crystal structure analysis of IDO2 for the development of new anticancer drugs

○高橋 歩¹ (Ayumu Takahashi)、野木 隼輔¹ (Shunsuke Nogi)、福田 庸太^{2,3} (Yohta Fukuda)、
辻野 博文^{2,4} (Hirofumi Tsujino)、井上 豪^{2,3} (Tsuyoshi Inoue)

¹ 阪大・薬・薬 (Phs, Phs, Osaka Univ),

² 大阪大学大学院薬学研究科 (Advanced Pharmaco-Science, Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Osaka University),

³ 大阪大学先導的学際研究機構 (Institute for Open and Transdisciplinary Research Initiatives (OTRI), Osaka University),

⁴ 大阪大学ミュージアム・リンクス (Osaka Univ museum ranks)

2P-008* トランスポゾンの転移に関わる CRISPR-Cas エフェクターの DNA 認識機構の解析

Mechanism of the target DNA recognition by the CRISPR-Cas effector complex for RNA-guided transposition

○石原 一輝¹ (Kazuki Ishihara)、松本 俊介² (Shunsuke Matsumoto)、沼田 倫征² (Tomoyuki Numata)

¹ 九大・生資環 (Dept. Biosci. and Biotech., Grad. Sch. Bioresource and Bioenviron. Sci., Kyushu Univ.),

² 九大・農 (Dept. Biosci. and Biotech., Grad. Sch. Bioresource and Bioenviron. Sci., Kyushu Univ.)

2P-009* タンパク質から脂質性リガンド分子を取り除く実験手法の検討に関する研究

Study on experimental method for removing lipidic ligand molecules from proteins

○前川 瀬里菜¹ (Serina Maekawa)、寺脇 明芳² (Asuka Terawaki)、園山 正史² (Masashi Sonoyama)、
林 史夫² (Fumio Hayashi)、井上 祐介² (Yusuke Inoue)、松岡 茂³ (Shigeru Matsuoka)、
村田 道雄⁴ (Michio Murata)、杉山 成¹ (Shigeru Sugiyama)

¹ 高知大・理工 (Grad. Sch. of Technol. & Sci., Kochi Univ.)、² 群馬大・理工 (Grad. Sch. of Technol. & Sci., Gunma Univ.),

³ 大分大・医 (Grad. Sch. of Med., Oita Univ.)、⁴ 阪大・理 (Grad. Sch. of Sci., Osaka Univ.)

2P-010* フェレドキシン-NADP+還元酵素の中性子結晶構造解析

Neutron crystallographic study of ferredoxin-NADP+ reductase

○上中 みどり^{1,2} (Midori Uenaka)、大西 裕介¹ (Yusuke Ohnishi)、田中 秀明^{1,2} (Hideaki Tanaka)、
栗栖 源嗣^{1,2} (Genji Kurisu)

¹ 阪大・蛋白研 (Institute for Protein Research, Osaka University.)、² 阪大・院理 (Graduate School of Science, Osaka University.)

2P-011* パルス電子顕微鏡のための液中試料観察法の開発

Development of Liquid Sample Observation Methods for Pulse-Electron Microscope

○片山 稔也 (Ryoya Katayama)、山崎 岳 (Takeru Yamasaki)、松本 友治 (Tomoharu Matsumoto)、
成田 哲博 (Akihiro Narita)

名大・院・理 (Grad. Sch. of Sci., Nagoya Univ.)

2P-012* アコヤガイ韌帯のバイオミネラルタンパク質 LICP の炭酸カルシウムナノ粒子を用いた溶液 NMR 法での立体構造解析

Structural analysis of the biomineral protein LICP from hinge ligament of Pinctada fucata using solution NMR with CaCO₃ nanoparticles

○二川 慶¹ (Kei Futagawa)、片山 秀和² (Hidekazu Katayama)、永田 宏次¹ (Koji Nagata)、
鈴木 道生¹ (Michio Suzuki)

¹ 東大院・農 (Agr., The Univ. of Tokyo)、² 東海大・工 (School of Engineering, Tokai Univ.)

2P-013* Structural Dynamics of Alligator-derived Antimicrobial Peptide, AsCATH5: Solution NMR and MD Insights in Membrane Mimetics

- Jeremia Oktavian Chrisnanto、加納 康平 (Kohei Kano)、柴垣 光希 (Mitsuki Shibagaki)、Dessalegn Abeje Tefera、平井 芙実 (Fumi Hirai)、熊木 康裕 (Yasuhiro Kumaki)、久米田 博之 (Hiroyuki Kumeta)、相沢 智康 (Tomoyasu Aizawa)
- Grad. Sch. Life Sci., Hokkaido Univ.

2P-014* In silico 創薬に基づく凝集性を抑制した一本鎖抗体の創製

In silico design of single-chain Fv antibody with suppressed oligomerization propensity

- 岡崎 匠 (Kyo Okazaki)、佐藤 卓史 (Takashi Sato)、小橋川 敬博 (Yoshihiro Kobashigawa)、森岡 弘志 (Hiroshi Morioka)
- 熊本大院・薬 (Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Kumamoto University)

2P-015* シランカップリングによるグラフェングリッドの機能化とクライオ電子顕微鏡観察への応用

Development of functionalized graphene grid by silane coupling agent and its application for Cryo-EM

- 鎌水 星奈¹ (Seina Yarimizu)、森口 舞子² (Maiko Moriguchi)、井上 豪^{1,3} (Tsuyoshi Inoue)、淺原 時泰^{1,3} (Haruyasu Asahara)
- ¹ 阪大・薬 (Grad. Sch. Pharm. Sci., Osaka Univ.)、² 和医大・薬 (Sch. Pharm. Sci., Wakayama Medical Univ.)、³ 阪大先導学際研 (OTRI, Osaka Univ.)

2P-016* 大腸菌ホスホエノールピルビン酸カルボキシラーゼ変異体のフィードバック阻害脱感作機構の解明

Desensitization of feedback inhibition of an E. coli phosphoenolpyruvate carboxylase mutant

- 松田 佳央理¹ (Kaori Matsuda)、西村 和樹¹ (Kazuki Nishimura)、三宅 智哉¹ (Tomoya Miyake)、藤田 純三^{2,3,4} (Junso Fujita)、難波 啓一^{2,3} (Keiichi Namba)、徳山 健斗⁵ (Kento Tokuyama)、戸谷 吉博⁵ (Yoshihiro Toya)、清水 浩⁵ (Hiroshi Shimizu)、栗栖 源嗣^{3,6} (Genji Kurusu)、ベッカーベッチャーン⁶ (Gert-Jan Bekker)、上原 了¹ (Ryo Uehara)、松村 浩由¹ (Hiroyoshi Matsumura)
- ¹ 立命館大・院生命 (Grad. Sch. of Life Sci., Ritsumeikan Univ.),
² 阪大・院生命機能 (Grad. Sch. of Frontier Biosci., Osaka Univ.),
³ 阪大・日本電子 YOKOGUSHI 協働研 (JEOL YOKOGUSHI Res. Alliance Lab., Osaka Univ.),
⁴ 阪大・院薬学 (Grad. Sch. of Pharma. Sci., Osaka Univ.),
⁵ 阪大・院情報科学 (Grad. Sch. of Info Sci., Osaka Univ.), ⁶ 阪大・蛋白研 (Inst. for Protein Res, Osaka Univ.)

2P-017* がん抑制タンパク質 p53 の凝集を介したフラボノイド Baicalein の抗がん活性の解析

Anticancer activity of the flavonoid Baicalein via aggregates of the tumor suppressor protein p53

- 土方 礼嗣¹ (Reiji Hijikata)、日比野 絵美¹ (Emi Hibino)、合田 名都子¹ (Natsuko Goda)、天野 剛志^{1,2} (Takeshi Tenno)、廣明 秀一^{1,2,3} (Hidekazu Hiroaki)

¹ 名大・院創薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Nagoya Univ.)、² 合同会社 BeCellBar (BeCellBar, LLC),
³ 東海国立大学機構 COMIT (COMIT)

2P-018* アコヤガイの貝殻基質タンパク質 nacrein の石灰化における役割の解析

Functional analysis of nacrein, a shell matrix protein of *Pinctada fucata*, in shell formation

- 浪川 勇人¹ (Yuto Namikawa)、清水 伸隆² (Nobutaka Shimizu)、鈴木 道生¹ (Michio Suzuki)
- ¹ 東大・農・応生化 (Grad. Sch. of Agric., The Univ of Tokyo)、² 高エネ研・物構研 (KEK, IMSS)

2P-019* オオクワガタ由来不凍タンパク質の安定性における溶液中の塩の影響

The effect of salts on stability of antifreeze protein from a stag beetle *Dorcus hopei binodulosus*

- 飯田 裕喜^{1,2} (Yuki Iida)、津田 栄^{3,4,5} (Sakae Tsuda)、大山 恭史² (Yasushi Ohyama)、近藤 英昌^{1,2} (Hidemasa Kondo)

¹ 北大院生命 (Hokkaido Univ.)、² 産総研・生物プロセス (BPRI, AIST)、³ 産総研・先端オペランド (OPERANDO-OIL, AIST)、⁴ 東大院新領域 (Univ. of Tokyo)、⁵ 北大院先端生命 (Fac. of Adv. Life Sci., Hokkaido Univ.)

2P-020* Trp89 によるグルタミン酸脱水素酵素ドメイン運動と酵素活性の制御
Role of Trp89 in the domain motion and enzymatic activity of glutamate dehydrogenase

- 若林 大貴^{1,2} (Taiki Wakabayashi)、大出 真央^{3,4} (Mao Oide)、松井 夕花^{1,2} (Yuka Matsui)、中迫 雅由^{1,2} (Masayoshi Nakasako)

¹ 慶應・理工 (Dept. of Phys., Fac. of Sci. Tech., Keio Univ.)、² 理研・RSC (RIKEN RSC),
³ 阪大・蛋白研 (Inst. Prot. Res., Osaka Univ.)、⁴JST・さきがけ (PRESTO, JST)

2P-021* 一本鎖プラス鎖 RNA ウィルスの RNA 依存性 RNA ポリメラーゼを標的とするヌクレオシドアナログの抗ウィルス活性とその構造基盤
Structural basis for antiviral activity of a nucleoside analogue targeting RNA-dependent RNA polymerase of +ssRNA viruses

- 伊東 詩織¹ (Shiori Ito)、喜多 俊介¹ (Shunsuke Kita)、上村 健太朗^{1,2,3,4} (Kentaro Uemura)、岩間 淳希¹ (Yuki Iwama)、真田 勇弥¹ (Yuya Sanada)、田所 高志⁵ (Takashi Tadokoro)、澤 洋文^{2,6} (Hirofumi Sawa)、佐藤 彰彦^{2,3,6} (Akihiko Sato)、松田 彰¹ (Akira Matsuda)、前仲 勝実^{1,2,6,7} (Katsumi Maenaka)

¹ 北大院薬 (Facul. Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 北大人獣研 (Inter. Inst. Zoonosis Control, Hokkaido Univ.)、

³ 塩野義製薬 (Shionogi & Co., Ltd.)、⁴ 阪大 CiDER (CiDER, Osaka Univ.)、

⁵ 山口東京理大薬 (Facul. Pharm. Sci., Sanyo-Onoda City Univ.)、

⁶ 北大ワクチン拠点 (Inst. Vaccine Res. & Devel., Hokkaido Univ.)、⁷ 九大院薬 (Facul. Pharm. Sci., Kyushu Univ.)

2P-022* クライオ電子顕微鏡を用いた、狂犬病ウィルスによるヒト STAT1 経路阻害の構造基盤

Structural basis for inhibition of human STAT1 pathway by rabies virus using Cryo-EM

- 南 未来¹ (Miku Minami)、杉山 葵¹ (Aoi Sugiyama)、武川 祐一郎¹ (Yuichiro Takekawa)、姚 閔^{1,2} (Min Yao)、稻葉 理美^{1,2} (Satomi Inaba)、廣瀬 未果³ (Mika Hirose)、杉田 征彦⁴ (Yukihiko Sugita)、尾瀬 農之^{1,2} (Tooyuki Ose)

¹ 北大院・生命科学 (Grad. School. Life Sci., Hokkaido Univ.)、

² 北大院・先端生命 (Faculty of Advanced Life Sci., Hokkaido Univ.)、³ 阪大・蛋白研 (IPR., Osaka Univ.)、

⁴ 京大・ウイルス・再生研 (Institute for Frontier Life and Medical Sciences, Kyoto Univ.)

2P-023* 創薬を目指した TEAD1 の結晶構造解析

Crystallographic study of TEAD1 for drug discovery

- 堀田 優樹¹ (Yuki Hotta)、永江 峰幸¹ (Takayuki Nagae)、前本 佑樹² (Yuki Maemoto)、武田 光広¹ (Mitsuhiro Takeda)、青山 洋史¹ (Hiroshi Aoyama)、伊藤 昭博² (Akihiro Ito)、三島 正規¹ (Masaki Mishima)

¹ 東京薬大・薬 (Dept. Pharm., Tokyo Univ. of Pharm. and Life Sci.)、

² 東京薬大・生命 (Dept. Life Sci., Tokyo Univ. of Pharm. and Life Sci.)

2P-024* ミトコンドリア外膜融合制御因子 Mfn1 および Mfn2 の一分子解析

Single molecule analysis of mitochondrial outer membrane fusion regulators Mfn1 and Mfn2

- 川合 志朋¹ (Shiho Kawai)、喜多 慎太郎¹ (Shintaro Kita)、古寺 哲幸² (Noriyuki Kodera)、荒磯 裕平¹ (Yuhei Araiso)

¹ 金大・医薬保健・保健 (Dept. of Clin. Lab. Sci., Div. of Health Sci., Kanazawa Univ.)、

² 金沢大・ナノ生命研 (WPI-NanoLSI, Kanazawa Univ.)

2P-025* NMR を用いた麻疹ウィルス V タンパク質の性状・構造解析

Characterization and structure analysis of measles virus V protein by NMR spectroscopy

- 森田 香歩¹ (Kaho Morita)、合田 菜々花¹ (Nanaka Goda)、木本 円花¹ (Madoka Kimoto)、伊東 大輝¹ (Daiki Ito)、姚 閔² (Min Yao)、久米田 博之² (Hiroyuki Kumeta)、尾瀬 農之² (Tooyuki Ose)

¹ 北大・院生命科学 (Grad. Sch. Life Sci., Hokkaido Univ.)、² 北大・院先端生命科学 (Grad. Sch. Adv. Life Sci., Hokkaido Univ.)

- 2P-026*** NIV 抗体と SARS-CoV-2 スパイクタンパク質複合体構造に基づく中和機構の解明
Neutralization mechanism based on NIV antibody and SARS-CoV-2 spike protein complex structure
- 染谷 太陽¹ (Taiyo Someya)、安楽 佑樹¹ (Yuki Anraku)、福原 秀雄² (Hideo Fuku hara)、森山 彩野⁵ (Saya Moriyama)、橋口 隆生⁶ (Takao Hashiguchi)、高橋 宜聖⁵ (Yoshimasa Takahashi)、喜多 俊介¹ (Shunsuke Kita)、前仲 勝実^{1,2,3,4} (Katsumi Maenaka)
- ¹ 北大・薬 (Fac. of Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 北大・人獣 (Ins. of Zoonosis Con., Hokkaido Univ.)、³ 北大・ワクチン拠点 (Inst. Vaccine Res. & Devel., Hokkaido Univ.)、⁴ 九大・薬 (Facul. Pharm. Sci., Kyushu Univ.)、⁵ 国立感染研 (Nat. Ins. of Infectious Disease)、⁶ 京大・医生研 (Ins. for Life and Med., Kyoto Univ.)
- 2P-027*** クライオ電子顕微鏡による H4 受容体 -Gi タンパク質複合体の立体構造解析
Cryo-EM structure of histamine H4 receptor-Gi protein complex
- 松崎 悠真 (Yuma Matsuzaki)、佐野 文哉 (Fumiya Sano)、小林 和弘 (Kazuhiro Kobayashi)、岡本 純幸 (Hiroyuki Okamoto)、赤坂 浩明 (Hiroaki Akasaka)、志甫谷 渉 (Wataru Shihoya)、濡木 理 (Osamu Nureki)
- 東大・院理・生科 (Dept. of Bio. Sci., Sch. of Sci., The Univ. of Tokyo)
- 2P-028*** 抗コロナウイルス薬の開発を志向した PDZ ドメイン阻害剤の探索
Design of PDZ domain inhibitor for anti-coronavirus drugs
- 安藤 夏乃¹ (Natsuno Ando)、天野 刚志¹ (Takeshi Tenno)、濱嶋 竜生¹ (Ryusei Hamajima)、高木 春樺¹ (Haruka Takagi)、花園 祐矢² (Yuya Hanazono)、沼本 修孝² (Nobutaka Numoto)、伊藤 暢聰² (Nobutoshi Ito)、廣明 秀一¹ (Hidekazu Hiroaki)
- ¹ 名大・院創薬 (Grad. Sch. Pharm. Sci., Nagoya Univ.)、² 医科歯科大・難研 (Med. Res. Inst., Tokyo Med. Dent. Univ.)
- 2P-029*** 光合成アンテナタンパク質フィコシアニンの生理的温度下の結晶構造解析
Crystallographic study of photosynthetic antenna protein at physiological temperature
- 浅田 莊爾¹ (Kanji Asada)、Leonard, M.G.H Chavas^{1,2}、梅名 泰史² (Yasufumi Umena)
- ¹ 名大・工・応物 (Dept. of Appl. Phys., Grad. Sch. of Eng., Nagoya Univ.)、² 名大・シンクロトロン光研究センター (NUSR, Nagoya Univ.)
- 2P-030*** 超疎水性基を活性化に利用する tRNA セレン修飾酵素の反応機構の解明
Elucidation of the reaction mechanism of tRNA seleno-modification enzyme that utilize superhydrophobic groups for tRNA activation
- 碓井 拓哉¹ (Takuya Usui)、石川 結女¹ (Yume Ishikawa)、中村 彰良² (Akiyoshi Nakamura)、尾瀬 農之^{1,3} (Toyoyuki Ose)、姚 閔^{1,3} (Min Yao)
- ¹ 北大・院生命・生命 (Grad. Sch. of Life. Sci., Hokkaido Univ)、² 産総研・生物 (Ins. of Bio. pro., AIST)、³ 北大・先端生命・融合 (Adv. Life. Sci., Hokkaido Univ)
- 2P-031*** F456L 変異を有する SARS-CoV-2 EG.5.1 S タンパク質の ACE2 親和性に関する構造生物学的洞察
Structural insights into the ACE2-binding affinity of SARS-CoV-2 EG.5.1 spike protein harboring characteristic F456L mutation
- 野間井 智¹ (Tomo Nomai)、安楽 佑樹¹ (Yuki Anraku)、喜多 俊介¹ (Shunsuke Kita)、矢島 久乃² (Hisano Yajima)、The G2P-Japan コンソーシアム³ (The G2P-Japan Consortium)、橋口 隆生² (Takao Hashiguchi)、福原 崇介⁴ (Takasuke Fuku hara)、佐藤 佳⁵ (Kei Sato)、前仲 勝実^{1,6,7,8} (Katsumi Maenaka)
- ¹ 北大院薬 (Facul. Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 京大医生研 (Inst. Life and Med. Sci., Kyoto Univ.)、³ The G2P-Japan コンソーシアム (The G2P-Japan Consortium)、⁴ 北大院医 (Facul. Med., Hokkaido Univ.)、⁵ 東大医科研 (Inst. Med. Sci., Univ. of Tokyo)、⁶ 北大人獣研 (Inter. Inst. Zoonosis Control, Hokkaido Univ.)、⁷ 北大ワクチン拠点 (Inst. Vaccine Res. & Devel., Hokkaido Univ.)、⁸ 九大院薬 (Facul. Pharm. Sci., Kyushu Univ.)
- 2P-032*** イムペネマーゼ (IMP-1) 型 Metallo- β -lactamase の構造解析に向けた取り組み
Preparation of structural analysis of Impenemase (IMP-1)-type metallo-beta-lactamase
- 須川 龍¹ (Ryu Sugawa)、喜多 俊介¹ (Shunsuke Kita)、前仲 勝実¹ (Katsumi Maenaka)、池田 朱里^{2,3} (Akari Ikeda)、本庄 雅子^{2,3} (Masako Honsho)、浅見 行弘^{2,3} (Yukihiro Asami)、砂塚 敏明^{2,3} (Toshiaki Sunazuka)、廣瀬 友靖^{2,3} (Tomoyasu Hirose)、鈴木 智博^{2,3} (Tomohiro Suzuki)
- ¹ 北大・薬 (Facul. Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 北里大学大村智記念研究所 (Kitasato Univ.)、³ 北里大学大学院感染制御科学府 (Kitasato Univ.)

Day 2 (June 12)

2P-033* トマチンを酸化的代謝に関わる酵素群の結晶構造に基づいた機能変換

Functional conversion of tomatine metabolizing 2-oxoglutarate-dependent dioxygenases

- 吉岡 剛汰¹ (Kota Yoshioka)、宮崎 麻紗美¹ (Asami Miyazaki)、秋山 遼太³ (Ryota Akiyama)、水谷 正治³ (Masaharu Mizutani)、野川 俊彦⁴ (Toshihiko Nogawa)、越野 広雪⁴ (Hiroyuki Koshino)、佐藤 裕介² (Yusuke Sato)、日野 智也² (Tomoya Hino)、永野 真吾² (Shingo Nagano)

¹ 烏大・院持続性社会 (Grad. Sch. Sus. Sci., Tottori Univ.)、² 烏大・院工 (Grad. Sch. Eng., Tottori Univ.)、

³ 神大・院農 (Grad. Sch. Agr. Sci., Kobe Univ.)、⁴ 理研 CSRS (RIKEN CSRS)

2P-034 Molecular Mechanisms of Diverse Chemokine Recognition and Downstream Signaling Selectivity of Chemokine Receptors

- 佐野 文哉¹ (Fumiya Sano)、Shirsha Saha²、Saloni Sharma²、木瀬 孔明¹ (Yoshiaki Kise)、Ramanuj Banerjee²、志甫谷 渉¹ (Wataru Shihoya)、瀧木 理¹ (Osamu Nureki)、Arun Shukla²

¹ 東大・理・生科 (Grad. Sch. of Sci., The Univ. of Tokyo)、² インド工科大・生科 (Dept. of Bio. Sci., Indian Inst. of Tech.)

2P-035 Structure analysis of diterpene cyclase CotB2 at ambient temperature

- 藤原 孝彰¹ (Takaaki Fujiwara)、間野 絵梨子¹ (Eriko Mano)、Nur Rochmah Atika¹、田口 真彦¹ (Masahiko Taguchi)、大和田 成起² (Shigeki Owada)、姜 正敏³ (Jungmin Kang)、Fangjia Luo²、Nipawan Nuemket^{2,3}、中根 崇智⁴ (Takanori Nakane)、南後 恵理子^{1,3} (Eriko Nango)

¹ 東北大・多元研 (Inst. Multidiscip. Res. for Adv. Mat, Tohoku Univ.)、² 高輝度光科学研究センター (JASRI)、

³ 理研・SPRING-8 (Riken Spring-8)、⁴ 阪大・蛋白研 (Inst. Prot. Res., Osaka Univ.)

2P-036 短鎖脂肪酸受容体 FFA2 のアロステリック活性化・不活性化機構の解明

Structural insights into allosteric activation/inactivation mechanism of FFA2

- 九川 真衣¹ (Mai Kugawa)、川上 耕季² (Kouki Kawakami)、木瀬 亮次³ (Ryoji Kise)、Carl-Mikael Suomivuori⁴、辻村 真樹⁵ (Masaki Tsujimura)、小林 和弘² (Kazuhiro Kobayashi)、小島 朝翔⁶ (Asato Kojima)、井上 若名⁶ (Wakana Inoue)、福田 昌弘² (Masahiro Fukuda)、福永 彩美¹ (Ayami Fukunaga)、金 穂香² (Suhyang Kim)、松井 俊貴⁶ (Toshiki Matsui)、池田 寿子² (Hisako Ikeda)、Ron O. Dror⁴、井上 飛鳥³ (Asuka Inoue)、加藤 英明^{1,2,6} (Hideaki Kato)

¹ 東大院・理・生科 (Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., The Univ. of Tokyo)、

² 東大・先端研 (Res. Ctr. for Adv. Sci. and Tech., The Univ. of Tokyo)、

³ 東北大院・薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Tohoku Univ.)、

⁴ Dept. of Comp. Sci., Stanford Univ. (Dept. of Comp. Sci., Stanford Univ.)、

⁵ 東大院・工・応化 (Dept. of Appl. Chem., Grad. Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo)、

⁶ 東大院・総文・生命 (Dept. of Life Sci., Sch. of Arts and Sci., The Univ. of Tokyo)

2P-037 ガス壊疽菌群コラゲナーゼの構造活性相関：コラーゲン分解における酵素ドメイン構造の意義に関する検討

Deciphering Clostridial Collagenase Mechanisms: Insights into Collagen Degradation and Structural Implications

- 左近 ジョシュア¹ (Joshua Sakon)、ボンス アドジョア¹ (Adjoa Bonsu)、松下 治⁵ (Osamu Matsushita)、山下 隼人² (Hayato Yamashita)、沖 大也² (Hiroya Oki)、河原 一樹² (Kazuki Kawahara)、増田 了³ (Ryo Masuda)、小出 隆規³ (Takaki Koide)、美間 健彦⁴ (Takehiko Mima)

¹ アーカンソー大学 (University of Arkansas)、² 大阪大学 (Osaka University)、³ 早稲田大学 (Waseda University)、

⁴ 愛媛県立医療技術大学 (Ehime Prefectural University of Health Sciences)、⁵ 岡山大学 (Okayama University)

2P-038 Intrinsically disordered protein (IDP) structure prediction using deep neural network and angle-based sampling method

- Suhyun Park¹、Sangwook Wu^{1,2}

¹Pukyong National Univ.、²Pharmcadd

2P-039 Synchrotron serial crystallography at 11C beamline of Pohang Light Source-II

- Suk Youl Park

Pohang Accelerator Laboratory, POSTECH

2P-040 Enhancement of BL-5C into a Highly Automated Macromolecular Crystallography Beamline at PLS II

- Cheolsoo Eo、Yeon-gil Kim

Pohang Accelerator Laboratory, POSTECH

2P-041 BL-11C Micro-MX: High-Flux Microfocus Macromolecular Crystallography at PLS II

○ Eunyoung Kim、Suk Youl Park

Pohang Accelerator Laboratory, POSTECH

2P-042 X-線結晶学ベースのフラグメント探索技術の自動化

Automated fragment screening system based on X-ray crystallography

○邊 化振 (Hwa-Jin Byeon)、金 年吉 (Yeon-Gil Kim)

浦項加速器 (Pohang Accelerator Laboratory, POSTECH)

2P-043 Structural Biology I (7A) beamline at the Pohang Light Source II

○ Sejin Shin、Sung Chul Ha

Pohang Accelerator Laboratory, POSTECH

2P-044 セラミド輸送蛋白質 CERT の構造解析

Structural analysis of ceramide transfer protein CERT

○藤田 達也¹ (Tatsuya Fujita)、櫻林 修平² (Shuhei Sakurabayashi)、張 潤棋³ (Junku Cho)、柳澤 春明³ (Haruaki Yanagisawa)、森田 さより¹ (Sayori Morita)、花田 賢太郎⁴ (Kentaro Hanada)、吉川 雅英³ (Masahide Kikkawa)、児嶋 長次郎^{1,2} (Chojiro Kojima)

¹ 横浜国立大学大学院 理工学府 (Graduate School of Engineering and Science, Yokohama National University),

² 大阪大学蛋白質研究所 (Institute for Protein Research, Osaka University),

³ 東京大学大学院 医学系研究科 (Graduate School of Medicine, The University of Tokyo),

⁴ 国立感染症研究所 (National Institute of Infectious Diseases)

2P-045 神経筋接合部形成に関わる筋特異的キナーゼ (MuSK) と MuSK 結合性ペプチド L1 複合体の X 線結晶構造解析

X-ray crystallography of muscle-specific kinase(MuSK) and its binding peptide L1

○的場 京子¹ (Kyoko Matoba)、水谷 文哉¹ (Fumiya Mizutani)、Hayden Peacock²、菅 裕明² (Hiroaki Suga)、有森 貴夫¹ (Takao Arimori)、高木 淳一¹ (Junichi Takagi)

¹ 阪大・蛋白研 (IPR, Osaka Univ.)、² 東大・理・化学 (Sci, The Univ. of Tokyo)

2P-046 Arabidopsis thaliana 由来グルタチオン加水分解酵素 GGP1 の構造基盤

Structural basis of glutathione hydrolase GGP1 from *Arabidopsis thaliana*

○曾根 康世¹ (Kosei Sone)、伊藤 岳洋² (Takehiro Ito)、大津 直子² (Naoko Ohtsu)、伏信 進矢^{1,3} (Shinya Fushinobu)

¹ 東大院・農 (Grad. Sch. Agri. Life Sci., The Univ. of Tokyo)、² 農工大院・連農 (Sch. Agri., Tokyo Univ. Agri. Tech),

³ 東大・CRIIM (CRIIM, Univ. Tokyo)

2P-047 スクミリンゴガイ (*Pomacea canaliculata*) の卵塊タンパク質の構造と機能

Structural and functional studies of *Pomacea canaliculata* egg protein

○西田 和哉 (Kazuya Nishida)、山田 等仁 (Tomohito Yamada)、津下 英明 (Hideaki Tsuge)

京産大・生命科学 (Fac. of Life Sci., Kyoto Sangyo Univ.)

2P-048 シロイヌナズナ由来アブシジン酸生合成酵素 ABA2 の構造的洞察

Structural insights into an abscisic acid biosynthetic enzyme ABA2 from *Arabidopsis thaliana*

○藤山 敬介¹ (Keisuke Fujiyama)、大西 利幸² (Toshiyuki Ohnishi)、轟 泰司³ (Yasushi Todoroki)、岡本 昌憲¹ (Masanori Okamoto)

¹ 理研・CSRS (RIKEN CSRS)、² 静大・グリーン研 (RIGST, Shizuoka Univ.)、³ 静大・農 (Fac. of Agr., Shizuoka Univ.)

2P-049 Kai 時計タンパク質の競合的複合体形成

Competitive complex formation of circadian Kai-clock proteins

○守島 健 (Ken Morishima)、柚木 康弘 (Yasuhiro Yunoki)、清水 将裕 (Masahiro Shimizu)、

井上 倫太郎 (Rintaro Inoue)、杉山 正明 (Masaaki Sugiyama)

京大複合研 (KURNS, Kyoto Univ.)

- 2P-050 海洋放線菌由来新規酵素の基質認識機構の解明**
Substrate recognition mechanism of a novel enzyme derived from marine Streptomyces
- 大城 拓未¹ (Takumi Oshiro)、上原 秀太¹ (Shuta Uehara)、田中 良和² (Yoshikazu Tanaka)、伊藤 卓也³ (Takuya Ito)、小寺 義男^{1,4} (Yoshio Kodera)、松井 崇^{1,4} (Takashi Matsui)
- ¹ 北里大・院生命物理 (Grad. Sch. Sci., Kitasato Univ.)、² 東北大・院生命科学 (Grad. Sch. Life Sci., Tohoku Univ.)、
³ 大阪大谷大・薬 (Faculty of Pharmacy, Osaka Ohtani Univ.)、
⁴ 北里大・理附属疾患プロテオミクスセンター (Center for Disease Proteomics, Sch. Sci., Kitasato Univ.)

- 2P-051 シアノバクテリアが持つ光センサー RcaE の緑色 / 赤色光吸収状態の構造解析**
Structural analysis of cyanobacterial photosensor RcaE in both the green and red-absorbing state
- 永江 峰幸¹ (Takayuki Nagae)、武田 光広¹ (Mitsuhiko Takeda)、青山 洋史¹ (Hiroshi Aoyama)、飯塚 佑介¹ (Yusuke Iizuka)、宮ノ入 洋平² (Yohei Miyanoiri)、広瀬 侑³ (Yuu Hirose)、三島 正規¹ (Masaki Mishima)
- ¹ 東京薬大・薬 (Dept. Pharm., Tokyo Univ. of Pharm. and Life Sci.)、² 阪大・蛋白研 (Inst. Protein Res., Osaka Univ.)、
³ 豊橋技科大・院工 (Grad. Sci. Tech., Toyohashi Univ. of Tech.)

2P-2 ポスター展示会場 (大ホール A+B) / Poster & Exhibition (Main Hall A+B) 6月12日 (水) / June 12 (Wed.) 13:45 ~ 15:45

計算科学・情報科学 / Computation/Information science (2P-052 ~ 2P-071)

- 2P-052 AlphaFold と分子動力学計算の統合的アプローチによるトランスポータタンパク質の未解明構造探索**
(YSA-06) Integration of AlphaFold with Molecular Dynamics for Uncovering Conformational States of Transporter Proteins
- 大貫 隼 (Jun Ohnuki)、岡崎 圭一 (Kei-ichi Okazaki)
 分子科学研究所 (Institute for Molecular Science)
- 2P-053 演題取り下げ /Withdrawn**
- 2P-054 グラフクラスタリングと AlphaFold2 による巨大マルチドメインタンパク質の構造予測**
Structure prediction of large multidomain proteins by graph clustering and AlphaFold2
- 小林 亮太 (Ryota Kobayashi)、森脇 由隆 (Yoshitaka Moriwaki)、寺田 透 (Tohru Terada)、藤田 卓 (Suguru Fujita)
 東大・農・応生工 (Dept. of Biotechnol., Grad. Sch. of Agri. and Life Sci., Univ. of Tokyo)
- 2P-055 鉄イオントランスポーター Yellow stripe 1 の構造遷移機構の解明**
Structural transition mechanism of the iron ion transporter Yellow stripe 1
- 宮廣 直樹¹ (Naoki Miyahiro)、手代木 陽介¹ (Yosuke Teshirogi)、森脇 由隆¹ (Yoshitaka Moriwaki)、山形 敦史² (Atsushi Yamagata)、寺田 透¹ (Tohru Terada)
¹ 東大・院農・応生工 (Dept. of Biotechnol., Grad. Sch. of Agri. and Life Sci., Univ. of Tokyo)、² 理化学研究所 (RIKEN)

- 2P-056 分子シミュレーションを用いた 2-オキソグルタル酸依存性ジオキシゲナーゼによるオロバンコールの環拡大反応機構の解明**
Mechanistic insights into ring expansion reaction of orobanchol by 2-oxoglutarate dependent dioxygenase through molecular simulations
- 蒋 瀚霆¹ (Hanting Jiang)、寺田 透¹ (Tohru Terada)、森脇 由隆¹ (Yoshitaka Moriwaki)、若林 孝俊² (Takatoshi Wakabayashi)、本間 大翔³ (Masato Homma)、杉本 幸裕³ (Yukihiro Sugimoto)
¹ 東大・院農・応生工 (Dept. of Biotechnol., Grad. Sch. of Agri. and Life Sci., Univ. of Tokyo)、
² 東大・院農・応生化 (Dept. of Biochem., Grad. Sch. of Agri. and Life Sci., Univ. of Tokyo)、
³ 神戸大・院農・応生化 (Dept. of Biochem., Grad. Sch. of Agri. and Life Sci., Kobe Univ.)

2P-057 スーパーコンピュータ富岳を用いた MD ベースのインシリコスクリーニング

MD-based in silico screening methods using supercomputer Fugaku

○鍋谷 朋哉¹ (Tomoya Nabetani)、浴本 亨¹ (Toru Ekimoto)、山根 努² (Tsutomu Yamane)、池口 満徳^{1,2} (Mitsunori Ikeguchi)

¹ 横浜市大院・生命医 (Grad. Sch. Med. Life Sci., Yokohama City Univ.), ² 理研・R-CCS (RIKEN R-CCS)

2P-058 キシラナーゼ (GH11 Xylanase) 酵素活性に及ぼす反応環境因子の理論解析

Computational analysis of environmental factors on the catalytic reaction of GH11 Xylanase

○石田 豊和 (Toyokazu Ishida)

産総研・材料化学 (Dept. of Mat.Chem., AIST)

2P-059 新規ペプチド合成を目指した非天然アミノ酸アデニル化酵素 AzpC 変異体の設計

Design of the variants of an unnatural amino acid adenylation enzyme AzpC for novel peptide synthesis

○三宅 恒輝 (Koki Miyake)、丸山 崇史 (Takashi Maruyama)、森脇 由隆 (Yoshitaka Moriwaki)、

勝山 陽平 (Yohei Katsuyama)、大西 康夫 (Yasuo Ohnishi)、寺田 透 (Tohru Terada)

東大・院農・応生工 (Dept. Biotechnol., Grad. Sch. Agri. Life Sci., Univ. of Tokyo)

2P-060 AlphaFold2 の予測構造を用いた立体構造比較による遠縁のホモログの認識

Remote homology detection through 3D structural comparison of tertiary predicted structures by AlphaFold2

○川端 猛 (Takeshi Kawabata)、木下 賢吾 (Kengo Kinoshita)

東北大・院情報 (Grad. Schl. Info. Sci., Tohoku Univ.)

2P-061 計算科学を用いた真菌由来テルペン環化酵素 TaTC6 の反応機構解析

Analysis of the reaction mechanism of the fungal terpene cyclase TaTC6 using a computational chemistry approach

○鳥野 祐作¹ (Yusaku Karasuno)、佐藤 玄² (Hajime Sato)、白石 太郎^{1,3} (Taro Shiraishi)、葛山 智久^{1,3} (Tomohisa Kuzuyama)

¹ 東大院農 (Grad. Sch. Agri. Life Sci., Univ. Tokyo)、² 山梨大院総合 (Interdiscip. Grad. Sch. Med. Eng., Univ. Yamanashi)、³ 東大微生物連携機構 (CRIIM, Univ. Tokyo)

2P-062 ヒドロアルコキシ化反応を触媒する Fur21 の基質結合複合体の構造予測および反応機構解析

Complex structure modeling and catalytic mechanism investigation of the hydroalkoxylation-catalyzing enzyme Fur21

○青山 直樹 (Naoki Aoyama)、白石 太郎 (Taro Shiraishi)、森脇 由隆 (Yoshitaka Moriwaki)、

葛山 智久 (Tomohisa Kuzuyama)、寺田 透 (Tohru Terada)

東大・院農・応生工 (Grad. Sch. Agri. Life Sci., Univ. Tokyo)

2P-063 インシリコ解析による Type-51 R-body 構造変化機構の解明

Mechanisms of Type-51 R-body conformational changes revealed by in silico analysis

○大枝 弘明¹ (Hiroaki Oheda)、浴本 亨¹ (Toru Ekimoto)、山根 努² (Tsutomu Yamane)、菊池 幸祐³ (Kosuke Kikuchi)、伊達 弘貴³ (Koki Date)、上野 隆史³ (Takafumi Ueno)、池口 满徳^{1,2} (Mitsunori Ikeguchi)

¹ 横浜市大・生命医 (Dept. of Med. Life Sci., Yokohama City Univ.)、² 理研・R-CCS (RIKEN R-CCS)、

³ 東工大・生命理工 (Sch. Life Sci. & Tech., Tokyo Tech)

2P-064 計算科学によるジアゾ化酵素 CmaA6 の反応機構推定

Computational Study of the Diazo-Forming Reaction Catalyzed by CmaA6

○唐澤 昌之¹ (Masayuki Karasawa)、森脇 由隆^{1,2} (Yoshitaka Moriwaki)、川合 誠司¹ (Seiji Kawai)、勝山 陽平^{1,2} (Yohei Katsuyama)、大西 康夫^{1,2} (Yasuo Ohnishi)、寺田 透^{1,2} (Tohru Terada)

¹ 東大・院農・応生工 (Dept. of Biotechnol., Grad. Sch. of Agri. and Life Sci., Univ. of Tokyo)、

² 東大・微生物連携機構 (Collab. Res. Inst. Innov. Microbiol. (CRIIM))

2P-065 先天性希少疾患の原因となるエンドセリン受容体 A 変異体の異常な機能発現機構の解析

The mechanism on abnormally functional expression of endothelin receptor A mutants causing Mandibulofacial dysostosis with alopecia

- 浴本 亨¹ (Toru Ekimoto)、栗原 由紀子² (Yukiko Kurihara)、栗原 裕基² (Hiroki Kurihara)、池口 満徳^{1,3} (Mitsunori Ikeguchi)

¹ 横浜市大・生命医 (Med. Life Science, Yokohama City Univ.)

² 東大・分子細胞生物 (Physiological Chm. Metab., The Univ. Tokyo)、³ 理研 R-CCS (RIKEN R-CCS)

2P-066 キラー T 細胞由来 T 細胞受容体の立体構造予測による抗原認識の研究

Antigen recognition by predicting the three-dimensional structure of killer T cell-derived T cell receptors

- 菊池 碧¹ (Ao Kikuchi)、浴本 亨¹ (Toru Ekimoto)、山根 努² (Tsutomu Yamane)、千葉 峻太朗² (Shuntaro Chiba)、清水 佳奈子³ (Kanako Shimizu)、藤井 真一郎³ (Shin-ichiro Fujii)、池口 満徳^{1,2} (Mitsunori Ikeguchi)

¹ 横浜市立大院・生命医 (Grad. Sch. of Life Sci., Yokohama City Univ.)、² 理研・計算科学セ (RIKEN R-CSS)、

³ 理研・生命医科学セ (RIKEN IMS)

2P-067 腫瘍免疫微小環境を考慮した乳がんのリスク因子同定

Identifying risk factors for breast cancer considering tumor immune microenvironment

- 浅井 智樹 (Tomoki Asai)、佐々木 貴規 (Takanori Sasaki)

明治大・院・先端数理 (Fac. Adv. Math. Sci., Meiji Univ.)

2P-068 高速原子間力顕微鏡データと分子シミュレーションの統合によるミオシン V の歩行運動のデータ同化解析

Data assimilation analysis of myosin V walking by integrating HS-AFM data and molecular simulations

- 渕上 壮太郎¹ (Sotaro Fuchigami)、松永 康佑² (Yasuhiro Matsunaga)、高田 彰二³ (Shoji Takada)

¹ 静岡大・薬 (Sch. of Pharm. Sci., Univ. of Shizuoka)、² 埼大院・理工 (Grad. Sch. of Sci. & Eng., Saitama Univ.)、

³ 京大院・理 (Grad. Sch. of Sci., Kyoto Univ.)

2P-069 液 - 液相分離を起こす低複雑性領域の配列パターン

Sequence patterns of low complexity regions that drive LLPS

- 鎮目 雄大 (Yudai Shizume)、太田 元規 (Motonori Ota)、小池 亮太郎 (Ryotaro Koike)

名大・情報 (Grad. Sch. Informatics, Nagoya Univ.)

2P-070 大規模短時間分子動力学シミュレーションによる化合物 - タンパク質間相互作用の予測

Prediction of compound-protein interactions using large-scale short-time molecular dynamics simulations

- 金澤 夏樹 (Natsuki Kanazawa)

京大大学院・医・人間健康 (Human Health Sciences, Graduate School of Medicine, Kyoto University)

2P-071 構造揺らぎと薬剤結合モードに基づいた in silico スクリーニングプロトコルの提案

Proposal of in silico screening protocol based on protein structural fluctuation and drug binding mode

- 寺田 弘人 (Hirotomo Terada)、森次 圭 (Kei Moritsugu)

大公大院・理 (Dept. of Sci. OMU)

2P-3

ポスター展示会場（大ホール A+B）/ Poster & Exhibition (Main Hall A+B)
6月12日(水) / June 12 (Wed.) 13:45 ~ 15:45

機能解析・細胞・イメージング / Protein/cellular functions, Imaging (2P-072 ~ 2P-085)

2P-072 PI3-kinase iSH2 ドメインによる細胞運動のアクセルとブレーキ:p85beta/AP2 を介したエンドサイトーシスと新規細胞運動制御機構の解明 (YSA-02)

Non-catalytic role of phosphoinositide 3-kinase in cell migration through non-canonical induction of p85beta/AP2-mediated endocytosis

- 松林 英明^{1,2} (Hideaki Matsubayashi)、Jack Mountain²、高橋 希¹ (Nozomi Takahashi)、Abhijit Deb Roy²、Tony Yao²、Amy F. Peterson²、Cristian Saez Gonzalez²、川又 生吹^{3,4,5} (Ibuki Kawamata)、井上 尊生² (Takanari Inoue)

¹ 東北大学 学際科学フロンティア研究所 (Frontier Research Institute for Interdisciplinary Sciences (FRIS), Tohoku University),

² ジョンズホプキンス大学 医学系研究科 (Department of Cell Biology, School of Medicine, Johns Hopkins University),

³ 東北大学 ロボティクス専攻 (Department of Robotics, Tohoku University),

⁴ 京都大学 大学院理学研究科 (Graduate School of Science, Kyoto University),

⁵ お茶の水大学 基幹研究院自然科学 (Natural Science Division, Ochanomizu University)

2P-073 小胞体 - 隔離膜コンタクト部位において形成される哺乳類 Atg を伴った液滴様構造の機能解析

Functional analysis of droplet-like structures formed at the ER-isolation membrane contact sites involving mammalian Atg proteins

- 小笠原 裕太¹ (Yuta Ogasawara)、濱 祐太郎¹ (Yutaro Hama)、的場 一晃² (Kazuaki Matoba)、辻 琢磨¹ (Takuma Tsuji)、野田 展生¹ (Nobuo Noda)

¹ 北海道大学遺伝子病制御研究所生命分子機構分野 (Hokkaido University Institute for Genetic Medicine),

² 微生物化学研究所構造生物学研究部 (Microbial Chemistry Research Foundation Laboratory of Structural Biology)

2P-074 癌細胞特異的に発現するタンパク質を標的とした新規薬物 - 複合体の創製研究

Design, Synthesis of novel Small Molecule-Drug Conjugates targeting tumor specific expressed proteins

- 高橋 晴太郎 (Seitaro Takahashi)、市川 聰 (Satoshi Ichikawa)
北大・院薬 (Faculty of Pharmaceutical Sciences, Hokkaido Univ.)

2P-075 Several C-terminal fragments of NEMURI function as non-lytic antimicrobial peptide

- ヘーサン モイナル¹ (Moynul Hasan)、小笠原 裕太¹ (Yuta Ogasawara)、藤岡 優子¹ (Yuko Fujioka)、西奈美 卓² (Suguru Nishinami)、戸田 浩史² (Hiroyumi Toda)、野田 展生¹ (Nobuo Noda)

¹ 北海道大学遺伝子医学研究所 (Inst. for Genet. Med, Hokkaido Univ.),

² 筑波大学国際統合睡眠医科学研究機構 (Int. Inst. for Integ. Sleep Med., Univ. of Tsukuba)

2P-076 構成型ヘムオキシゲナーゼと NADPH- シトクロム P450 還元酵素の相互作用様式の分子間架橋による検討

Characterization of the molecular interaction between the constitutive isoform of heme oxygenase and NADPH-cytochrome P450 reductase

- 杉島 正一¹ (Masakazu Sugishima)、平 順一² (Junichi Taira)、坂本 寛² (Hiroshi Sakamoto)、山本 健¹ (Ken Yamamoto)

¹ 久留米大・医 (Sch. Med., Kurume Univ.),

² 九大工院・情報工・生命化学 (Grad. Sch. Comp. Sci. and Systems Engineering, Kyushu Inst. of Tech.)

2P-077 ヒト培養細胞を用いた MERS-CoV スパイクの抗体逃避変異の同定

Identification of antibody-escape mutations using only MERS-CoV spikes in virus-free cultured human cells

- 佐々木 慶英¹ (Jieji Sasaki)、池亀 聰² (Satoshi Ikegame)、吉富 啓之³ (Hiroyuki Yoshitomi)、上野 英樹³ (Hideki Ueno)、橋口 隆生¹ (Takao Hashiguchi)

¹ 京大・医生研・ウイルス制御 (LiMe. Medical Virology., Kyoto Univ.),

² 九大・医・呼吸器内科学 (Dept of Respiratory Medicine, Grad Sch of Medical Sciences, Kyushu Univ.),

³ 京大・医・免疫細胞生物学 (Dept of Immunology, Grad Sch of Med, Kyoto Univ.)

- 2P-078 細胞内局所粘度計測のための有機小分子 - タンパク質ハイブリッド型蛍光プローブの開発**
Development of a small molecule-protein hybrid fluorescence probe for measurement of intracellular local viscosity
- 笠井 栄杜¹ (Shuto Kasai)、佐々木 栄太^{1,2} (Eita Sasaki)、椎葉 満理奈² (Marina Shimba)、森 貴裕³ (Takahiro Mori)、阿部 郁朗³ (Ikuro Abe)、花岡 健二郎^{1,2} (Kenjiro Hanaoka)
- ¹慶大院・薬 (Grad. Sch. Pharm. Sci., Keio Univ.)、²慶大・薬 (Fac. Pharm., Keio Univ.)、³東大院・薬 (Grad. Sch. Pharm. Sci., Univ. of Tokyo)
- 2P-079 3本鎖DNA結合蛋白質の3本鎖DNA認識機構**
Mechanism of triplex DNA-binding proteins to recognize triplex DNA
- 新村 真依子 (Maiko Shimmura)、木内 一樹 (Kazuki Kiuchi)、佐藤 憲大 (Norihiro Sato)、片山 拓馬 (Takuma Katayama)、○鳥越 秀峰 (Hidetaka Torigoe)
- 東理大・理 (Fac. Science, Tokyo Univ. of Science)
- 2P-080 腫瘍抑制蛋白質PRELPの疎水性駆動によるダイマー形成の機能的意義とその制御を指向した分子デザイン**
Functional significance and molecular design-based regulation of the hydrophobicity-driven dimerization of a tumor suppressor PRELP
- 小菅 啓史¹ (Hiroyumi Kouge)、中木戸 誠^{1,2} (Makoto Nakakido)、津本 浩平^{1,2,3} (Kouhei Tsumoto)
- ¹東大院・工・バイオエンジ (Dept. of Bioeng., Sch. of Eng., Univ. of Tokyo)、²東大院・工・化生 (Dept. of Chem. Biotech., Sch. of Eng., Univ. of Tokyo)、³東大・医科研 (Inst. of Med. Sci., Univ. of Tokyo)
- 2P-081 新規抗菌薬開発を目指したMraY阻害剤ムレイドマイシン誘導体の創出研究**
Research on creation of MraY inhibitor mureidomycin derivatives for development of novel antimicrobial agents
- 浅尾 健太¹ (Kenta Asao)、山本 一貴¹ (Kazuki Yamamoto)、佐藤 豊孝² (Toyotaka Sato)、堀内 基広³ (Motohiro Horiuchi)、市川 智¹ (Satoshi Ichikawa)
- ¹北大院・薬 (Fac. of Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、²北大院・獣医 (Fac. of Vet. Med., Hokkaido Univ.)、³札医大 (Sapporo Medical Univ.)
- 2P-082 プロテアソーム阻害天然物誘導体を基盤とした低分子 - 薬物複合体の創製研究**
Creation of small molecule-drug conjugates based on proteasome-inhibiting natural product derivatives
- 小原 天宏 (Takahiro Obara)、龍見 健吾 (Kengo Tatsumi)、河野 七海 (Nanami Kawano)、中島 孝平 (Kohei Nakajima)、勝山 彰 (Akira Katsuyama)、小川 美香子 (Mikako Ogawa)、市川 智 (Satoshi Ichikawa)
- 北大院薬 (Faculty of Pharmaceutical Science, Hokkaido University)
- 2P-083 新規癌幹細胞様細胞株に対する選択的治療薬のスクリーニングの施行**
Examination of selective therapeutic drug screening using novel cancer stem-like cell line
- 太田 悠介¹ (Yusuke Ohta)、梁井 史織² (Shiori Yanai)、竹内 若菜² (Wakana Takeuchi)、黒田 京佑² (Kyosuke Kuroda)、野村 尚生^{1,2} (Takao Nomura)、前仲 勝実^{1,2} (Katsumi Maenaka)
- ¹北大院薬 (Grad. Sch. Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、²北大院・生命科学院 (Grad. Sch. Life. Sci., Hokkaido Univ.)
- 2P-084 乾燥耐性植物由来PCC13-62の新規機能解明**
Elucidate a new enzymatic function of PCC13-62 from plants with desiccation tolerance
- 出口 皓基¹ (Koki Deguchi)、加藤 澄晴² (Subaru Kato)、藤田 健太郎² (Kentaro Fujita)、福田 康太^{2,3} (Yohta Fukuda)、井上 豪^{2,3} (Tsuyoshi Inoue)
- ¹阪大・薬・薬 (Phs, Phs, Osaka Univ.)、²大阪大学大学院薬学研究科 (Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Osaka University)、³大阪大学先導的学際研究機構 (Institute for Open and Transdisciplinary Research Initiatives, Osaka University)
- 2P-085 動物由来GH3様タンパク質の構造機能解析**
Structural and Functional Analyses of Animal GH3-like Proteins
- 高井 真由¹ (Mayu Takai)、福田 康太^{2,3} (Yohta Fukuda)、井上 豪^{2,3} (Tsuyoshi Inoue)
- ¹阪大・薬・薬 (Phs, Phs, Osaka Univ.)、²大阪大学大学院薬学研究科 (Advanced Pharmaco-Science, Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Osaka University)、³大阪大学先導的学際研究機構 (Institute for Open and Transdisciplinary Research Initiatives (OTRI), Osaka University)

2P-4

ポスター展示会場（大ホール A+B）/ Poster & Exhibition (Main Hall A+B)

6月12日(水) / June 12 (Wed.) 13:45 ~ 15:45

物性・フォールディング / Biophysics, Protein Folding (2P-086 ~ 2P-115)

2P-086* 認知症 FENIB 病原蛋白質の構造解析

Structural analysis of a pathogenic protein that underlies the dementia FENIB

- 赤井 大輝 (Daiki Akai)、山本 拓実 (Takumi Yamamoto)、島本 花菜 (Kana Shimamoto)、恩田 真紀 (Maki Onda)
大阪公大・理・生物化学 (Dept. of Biol. Chem., Osaka Met. Univ.)

2P-087* RNA 結合タンパク質 SRSF1 のリン酸化による液-液相分離の制御

Phosphorylation inhibits liquid-liquid phase separation of RNA-binding protein SRSF1

- 宇都宮 権吾¹ (Shingo Utsunomiya)、網代 将彦² (Masahiko Ajiro)、吉澤 拓也¹ (Takuya Yoshizawa)、
萩原 正敏³ (Masatoshi Hagiwara)、上原 了¹ (Ryo Uehara)、松村 浩由¹ (Hiroyoshi Matsumura)

¹立命館大・院生命 (Grad. Sch. of Life Sci., Ritsumeikan Univ.), ²国立がんセンター (National Cancer Center Res. Inst.),
³京大・院医学 (Grad. Sch. of Med., Kyoto Univ.)

2P-088* シトクロムcのドメインスワッピング 2量体の形成と安定性に対するイオンの影響

Effects of ions on the formation and stability of the domain-swapped cytochrome c dimer

- 藤原 純大 (Kodai Fujiwara)、龍崎 美智子 (Michiko Ryuzaki)、山中 優 (Masaru Yamanaka)、
真島 剛史 (Tsuyoshi Mashima)、小林 直也 (Naoya Kobayashi)、廣田 俊 (Shun Hirota)
奈良先端大・先端科技 (NAIST)

2P-089* β構造上の余計な「折り目」が蛋白質分子の構造と機能に与える影響

Effect of extra "ORIME" in the beta structure on the structure of the protein molecule

- 三菅 優菜¹ (Himena Misuga)、大島 広夢¹ (Hiromu Ohshima)、星野 大² (Masaru Hoshino)、
千葉 かおり¹ (Kaori Chiba)

¹茨城高専・国際創造 (Indust. Eng. Natl. Inst. of Tech. Ibaraki Coll.), ²京大・薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kyoto Univ.)

2P-090* 酵母遺伝子組換え発現系においてジスルフィド異性体の性質が分泌に及ぼす影響

The nature of disulfide isomers influences the fate of secretion in the yeast recombinant expression system

- 吉川 一歩 (Ichiho Yoshikawa)、花岡 杏美 (Ami Hanaoka)、飯塚 友菜 (Tomona Iizuka)、鄭 靖康 (Jingkang Zheng)、
久米田 博之 (Hiroyuki Kumeta)、熊木 康裕 (Yasuhiro Kumaki)、相沢 智康 (Tomoyasu Aizawa)
北大・院生命 (Grad. Sch. Life Sci., Hokkaido Univ.)

2P-091* 酸化還元活性な液液相分離材料による酸化的タンパク質フォールディング促進

Redox-Active Liquid-Liquid Phase Separation Materials Promote Oxidative Protein Folding

- 山下 有希乃¹ (Yukino Yamashita)、熊代 宗弘² (Munehiro Kumashiro)、齋尾 智英² (Tomohide Saio)、
村岡 貴博^{1,3} (Takahiro Muraoka)

¹農工大・工 (Grad. Sch. of Eng., Tokyo Univ. of Agri. and Tech.),

²徳大・先端酵素研 (Inst. of Adv. Med. Sci., Tokushima Univ.), ³神奈川産技総研 (KISTEC)

2P-092* αB クリスタリンによるαシヌクレイン液滴の老化の阻害

αB-crystallin prevents aging of α-synuclein droplets

- 藤塚 健次¹ (Kenji Fujitsuka)、柚 佳祐¹ (Keisuke Yuzu)、道上 佑希¹ (Yuki Michiue)、
カーバー ジョン² (John A. Carver)、茶谷 紘理¹ (Eri Chatani)

¹神戸大・院理 (Grad. Sch. Sci., Kobe Univ.), ²オーストラリア国立大・化 (Res. Sch. Chem., The Austral. Natl. Univ.)

2P-093* 温度圧力依存性に基づく変異型 SARS-CoV-2 スパイクタンパク質受容体結合ドメインの構造安定性の比較

Comparison of stability of variants of SARS-CoV-2 receptor binding domain based on temperature- and pressure-dependent analysis

- 福本 翔吾¹ (Shogo Fukumoto)、林 雨曦² (Yuxi Lin)、李 映昊² (Young-Ho Lee)、
櫻井 一正^{1,3} (Kazumasa Sakurai)

¹近畿大院・生物理工 (Grad. Sch. BOST, Kindai Univ.), ²韓国基礎科学研究院 (Korean Basic Sci. Inst.),

³近畿大・先端研 (Inst. Adv. Tech., Kindai Univ.)

2P-094* フィブロインナノファイバーの形成にはオリゴマー状態が必須である

The oligomeric state is essential for fibroin nanofiber formation

- 梶本 遥也¹ (Haruya Kajimoto)、米澤 健人² (Kento Yonezawa)、佐藤 健大³ (Takehiro Sato)、曾国森¹ (Kok Sim Chan)、林 輝一¹ (Kiichi Hayashi)、沢井 拓也¹ (Takuya Sawai)、岡本 悠介¹ (Yusuke Okamoto)、饗庭 樂理¹ (Rakuri Aiba)、山崎 洋一¹ (Yoichi Yamazaki)、藤間 祥子¹ (Sachiko Toma-Fukai)、上久保 裕生^{1,2} (Hironari Kamikubo)

¹ 奈良先端大・物質 (NAIST, MS)、² 奈良先端大・デジタルグリーンイノベーションセンター (NAIST, CDG)、

³ スパイバー (株) (Spiber Inc.)

2P-095* 変性性脊髄症に関わる変異型 SOD1 の凝集メカニズム

Aggregation mechanism of mutant SOD1 associated with canine degenerative myelopathy

- 篠 有毅¹ (Yuki Shino)、小畠 結² (Yui Kobatake)、神志那 弘明³ (Hiroaki Kamishina)、加藤 龍一⁴ (Ryuichi Kato)、村木 則文¹ (Norifumi Muraki)、古川 良明¹ (Yoshiaki Furukawa)

¹ 慶大・理工 (Dept. of Chem., Keio Univ.)、² 岐阜・応用生物 (Dept. of Applied Biological Sciences., Gifu Univ.)、

³ KyotoAR 動物高度医療センター (KyotoAR)、⁴ 高エネ機構・物構研 (KEK IMSS)

2P-096* 高圧 NMR による新型コロナウイルス受容体結合ドメインの構造特性の解析

Structural characterization of SARS-CoV-2 receptor binding domain revealed by High-pressure NMR

- 井上 直也¹ (Naoya Inoue)、李 映昊² (Young-Ho Lee)、櫻井 一正¹ (Kazumasa Sakurai)

¹ 近大・生物理工 (Grad. Sch. BOST. Kindai Univ.)、

² 韓国基礎科学研究院 (Div. Bioconvergence Anal., Korea Basic Sci. Inst., South Korea)

2P-097* de novo 設計に基づく GroES 様タンパク質の機能最適化と評価

Evaluation of de novo-designed GroES-like proteins for functional optimization

- 石田 弥々¹ (Yaya Ishida)、張 博涵² (Bohan Zhang)、小澤 秀夫¹ (Hideo Ozawa)、小池 あゆみ^{1,2} (Ayumi Koike-Takeshita)

¹ 神奈川工科大・院・工 (Dept. Appl. Chemi. Biosci., Grad. Sch. Eng., Kanagawa Inst. of Tech.)、

² 神奈川工科大・応用バイオ (Dept. Appl. Biosci., Kanagawa Inst. of Tech.)

2P-098* 真空紫外円二色性と分子動力学シミュレーションによる α シヌクレイン NAC 領域の生体膜相互作用機構の解析

Membrane-interaction mechanism of the NAC region of α -synuclein analyzed by vacuum-ultraviolet circular dichroism and molecular dynamics

- 今浦 稔太¹ (Ryota Imaura)、松尾 光一² (Koichi Matsuo)

¹ 広島大・先進理工・物理 (Graduate School of Advanced Science and Engineering, Hiroshima Univ.)、

² 広島大学放射光科学研究センター (Hiroshima Synchrotron Radiation Center, Hiroshima Univ.)

2P-099* ヒト由来抗菌ペプチド LL-37 はげっ歯類オルソログと異なる多量体化特性を有する

Distinct multimerization properties of human antimicrobial peptide LL-37 compared to its rodent orthologue

- 柴垣 光希 (Mitsuki Shibagaki)、クリスナント ジェレミア (Jeremia Chrisnanto)、テフェラ デサレニ (Dessalegn Tefera)、月岡 耕太郎 (Kotaro Tsukioka)、上田 和佳 (Waka Ueda)、加納 康平 (Kohei Kano)、谷 吳 (Hao Gu)、平井 芙実 (Fumi Hirai)、熊木 康裕 (Yasuhiro Kumaki)、久米田 博之 (Hiroyuki Kumeta)、相沢 智康 (Tomoyasu Aizawa)
北大・院生命 (Grad. Sch. of Life Sci., Hokkaido Univ.)

2P-100* 細胞内フォールディングセンサーを用いた凝集性タンパク質の可溶化スクリーニング

Solubility screening from mutants of aggregation-prone proteins using in vivo folding sensor

- 金澤 篤宏¹ (Atsuhiro Kanazawa)、野島 達也² (Tatsuya Nojima)、三輪 つくみ² (Tsukumi Miwa)、田口 英樹^{1,2} (Hideki Taguchi)

¹ 東工大・生命理工 (Sch. of Life Sci. Tech., Tokyo Tech)、² 東工大・研究院・細胞センター (Cell Biology Center, IIR, Tokyo Tech)

2P-101* 深共晶溶媒中でのラッカーゼ活性

Laccase activity in deep eutectic solvent

- 小関 慶樹 (Yoshinobu Koseki)、吉木 智大 (Tomohiro Furuki)、吉田 桃也 (Toya Yoshida)、延山 知弘 (Tomohiro Nobeyama)、白木 賢太郎 (Kentaro Shiraki)
筑波大・数理 (Pure & Appl. Sci., Univ. Tsukuba)

2P-102* ABC トランスポーター BhuUV-T のヘム輸送における初期段階の紫外・可視吸収分光解析
UV/visible absorption spectroscopy of the early steps in heme transport of the ABC transporter; BhuUV-T

○中川 開斗¹ (Kaito Nakagawa)、城 宜嗣² (Yoshitsugu Shiro)、杉本 宏^{2,3} (Hiroshi Sugimoto)、木村 哲就^{1,4} (Tetsunari Kimura)

¹ 神戸大・理・化 (Dept. of Chem., Grad. Sch. of Sci., Kobe Univ.).

² 兵庫大・理・生命 (Dept. of Life Sci., Grad. Sch. of Sci., Univ. of Hyogo)、³ 理研・SPring-8 (SPring-8 Cent., RIKEN)、

⁴ 神戸大・分子フォト (Mol. Photo. Res. Cent., Kobe Univ.)

2P-103* SOD1 を活性化する銅シャペロン CCS の亜鉛イオン獲得メカニズム
A mechanism of zinc acquisition by a copper chaperone CCS for SOD1 activation

○橋口 佑喜 (Yuki Hashiguchi)、若原 裕磨 (Yuma Wakahara)、本田 一起 (Kazuki Honda)、古川 良明 (Yoshiaki Furukawa)

慶應大・理工 (Dept of Chem, Keio Univ.)

2P-104* ループの形成がもたらすヘリックス誘起のメカニズム

Mechanism of the helix induction caused by the loop formation

○柳田 侑樹¹ (Yuki Yanagida)、吉田 清美² (Kiyomi Yoshida)、藤原 和夫^{1,2} (Kazuo Fujiwara)、池口 雅道^{1,2} (Masamichi Ikeguchi)

¹ 創価大・理工・生命理学 (Dept. of Biosci., Grad. Sch. of Sci and Eng., Soka Univ.).

² 創価大・工学・生命情報 (Dept. of Biosci., Grad. Sch. of Eng., Soka Univ.)

2P-105* AlphaFold2 におけるタンパク質折りたたみ経路の解析とフォールディング実験との比較
Analysis of protein folding pathways in AlphaFold2 and comparison with folding experiments

○野崎 幸成¹ (Kosei Nozaki)、Leornard, M.G.H Chavas^{1,2}、千見寺 浩慈¹ (George Chikenji)

¹ 名大・工・応物 (Dept. of Appl. Phys., Grad. Sch. of Eng., Nagoya Univ.).

² 名古屋大学シンクロトロン光センター (NUSR, Nagoya Univ.)

2P-106* 光捕集タンパク質 LH1-RC の光依存的な分子動態

Light-induced intramolecular dynamics of light-harvesting protein LH1-RC

○大久保 達成^{1,2} (Tatsunari Ohkubo)、新井 達也^{2,3} (Tatsuya Arai)、関口 博史⁴ (Hiroshi Sekiguchi)、三尾 和弘^{1,2} (Kazuhiro Mio)、佐々木 裕次^{2,3} (Yuji Sasaki)

¹ 横市大・生医 (Grad. Sch. Med Life Sci, Yokohama City Univ.)、² 産総研・東大オペランド OIL (OPERANDO-OIL, AIST)、

³ 東大・新領域 (Dept. Adv. Mat. Sci., Univ. Tokyo)、⁴ 高輝度光科学研究センター (JASRI)

2P-107* 乾燥タンパク質の真空紫外円二色性測定と膜相互作用研究

Measurements of vacuum-ultraviolet circular dichroism of dry proteins and its application to protein-membrane interaction study

○林 高輔¹ (Kosuke Hayashi)、今浦 稔太¹ (Ryota Imaura)、松尾 光一^{1,2} (Koichi Matuo)

¹ 広大・先進理工・物理 (Graduate School of Advanced Science and Engineering, Univ. of Hiroshima)、

² 放射光科学研究センター (HiSOR)

2P-108* The amphibian derived cathelicidin BG possesses antimicrobial activities against Gram positive and Gram negative bacteria

○Chinonso A Ezema^{1,2}、Mitsuki Shibagaki¹、Tomoyasu Aizawa³

¹ Graduate School of Life Science, Hokkaido University、

² Department of Microbiology, Faculty of Biological Sciences, University of Nigeria、

³ Faculty of Advanced Life Science, Hokkaido University

2P-109 An amphiphilic material arginine-arginine-bile acid promotes alpha-synuclein amyloid formation

○林 雨曦¹ (Yuxi Lin)、So-Hyeon Park^{2,3}、Yunseok Heo¹、Jooho Park^{2,3}、Young-Ho Lee^{1,4,5,6,7}

¹ Biopharmaceutical Research Center, KBSI、² Dept. Biomed. Chem., KKU、³ Dept. Appl. Life Sci., BK21 program, KKU、

⁴ Bio-Analytica Sci., UST、⁵ Grad. Sch. Anal. Sci. Technol., CNU、⁶ Dept. Syst. Biotechnol., CAU、

⁷ FRIS, Tohoku Univ.

2P-110 A novel nanoparticle prevents TDP-43 aggregation in amyotrophic lateral sclerosis

- Yunseok Heo¹、Na Young Park²、Yuxi Lin¹、Minyeop Nahm³、Young Bin Hong^{2,4}、Young-Ho Lee^{1,5,6,7,8}

¹Biopharmaceutical Research Center, Korea Basic Science Institute,

²Department of Translational Biomedical Sciences, Graduate School of Dong-A University,

³Dementia Research Group, Korea Brain Research Institute,

⁴Departments of Biochemistry, College of Medicine, Dong-A University,

⁵Bio-Analytical Science, University of Science and Technology,

⁶Graduate School of Analytical Science and Technology, Chungnam National University,

⁷Department of Systems Biotechnology, Chung-Ang University,

⁸Frontier Research Institute for Interdisciplinary Sciences, Tohoku University

2P-111 Novel Insights into Glucagon Amyloid Formation

- 李妍¹(Yan Li)、Hyeongseop Jeong²、林雨曦³(Yuxi Lin)、Jin Hae Kim⁴、馬渕拓哉⁵(Takuya Mabuchi)、Wookyung Yu⁶、Yunseok Heo³、Hyung-Sik Won⁷、奥村正樹⁵(Masaki Okumura)、Young-Ho Lee^{3,5,8}

¹Res. Inst. Biomed. Health Sci., KKU、²Electron Microsc. & Spectrosc. Anal., KBSI,

³Biopharm. Res. Cent., KBSI、⁴Dept. New Biol., DGIST, Tohoku Univ.、⁵Dept. Brain Sci., DGIST,

⁷Dept. Biotechnol., Coll. Biomed. Health Sci., KKU、⁸Bio-Anal. Sci., UST

2P-112 Unraveling the Underlying Mechanisms of Reduced Amyloidogenic Properties in Human Calcitonin via Double Mutations

- Ling-Hsien Tu、Yu-Pei Chang、Pei-Chun Pan

National Taiwan Normal University

2P-113 あらゆるタンパク質のフォールディング機構を予測可能な構造ベースの統計力学モデルの開発

(YSA-07) **Structure-based statistical mechanical models for predicting folding mechanisms of any protein**

- 大岡 紘治¹(Koji Ooka)、新井 宗仁^{1,2,3}(Munehito Arai)

¹東大・教養(Col. Arts & Sci., Univ. Tokyo)、²東大・総合文化・生命環境(Dept. Life Sci., Univ. Tokyo),

³東大・理・物理(Dept. Phys., Univ. Tokyo)

2P-114 Multiplexed nanopore reading of single-molecule protein strands and post-translational modifications

(YSA-09) (Keisuke Motone)、Daphne Kontogiorgos-Heintz、Jasmine Wee、Kyoko Kurihara、

Sangbeom Yang、Gwendolin Roote、Yishu Fang、Nicolas Cardozo、Jeff Nivala

ワシントン大・工(Comp. Sci. Eng., Univ. of Washington)

2P-115 Spatiotemporal formation of a single liquid-like condensate of α -synuclein by optical trapping

(YSA-03) ○ 柚 佳祐^{1,2}(Keisuke Yuzu)、Ching-Yang Lin²、Po-Wei Yi²、Chih-Hao Huang²、

増原 宏²(Hiroshi Masuhara)、茶谷 絵理¹(Eri Chatani)

¹神戸大・院理(Grad. Sch. Sci., Kobe Univ.)、²台湾国立陽明交通大学・応用化学(Dept. Appl. Chem., NYCU)

2P-5

ポスター展示会場（大ホール A+B）/ Poster & Exhibition (Main Hall A+B)
6月12日(水) / June 12 (Wed.) 13:45 ~ 15:45

プロテオーム・蛋白質工学 / Proteomics/Protein engineering (2P-116 ~ 2P-151)

2P-116* 超好熱菌由来タンパク質性足場分子 CutA1 循環置換体の創製と機能検証

Creation and Functional Verification of a Circular Permuted Proteinaceous Scaffold CutA1 from hyperthermophilic bacteria

○佐々木 統也 (Toya Sasaki)、今村 錠克 (Koreyoshi Imamura)、今中 洋行 (Hiroyuki Imanaka)

岡大・環生自科 (Grad. Sch. of Env., Life, Nat. Sci. & Tech., Okayama Univ.)

2P-117* メタゲノム由来クチナーゼの PET 分解活性評価

PET degradation activity of Cutinase from a compost metagenome

○畠 昂樹¹ (Koki Hata)、安部 夏月¹ (Natsuki Abe)、飯塚 恒² (Ryo Iizuka)、養王田 正文¹ (Masafumi Yohda)、森屋 利幸⁴ (Toshiyuki Moriya)、大島 泰郎⁴ (Tairo Oshima)、野口 恵一³ (Keiichi Nogchi)

¹ 東京農工大・工・生命工 (Dept. of Biotechnology and Life Science, Tokyo Univ. of Agriculture and Technology),

² 東京大・理学系研究科 (Graduate School of Science, The Univ. of Tokyo),

³ 東京農工大・学術研究支援総合センター (Research Center for Science and Technology, Tokyo Univ. of Agriculture and Technology),

⁴ 共和化工業株式会社環境微生物研究所 (Institute of Environmental microbiology, Kyowa Kako Co., Ltd.)

2P-118* 化膿レンサ球菌由来 MtsA による金属イオン結合の分子評価

Molecular Evaluation of Metal Ion Binding of MtsA from Streptococcus Pyogenes

○浅野 梨紗¹ (Risa Asano)、竹内 美結¹ (Miyu Takeuchi)、中木戸 誠^{1,4} (Makoto Nakakido)、相川 知宏² (Chihiro Aikawa)、矢塙 紅音³ (Akane Yato)、堀谷 正樹³ (Masaki Horitani)、長門石 曜⁵ (Satoru Nagatoishi)、中川 一路^{1,4,5} (Ichiro Nakagawa)、津本 浩平^{1,4,5} (Kouhei Tsumoto)

¹ 東京大学大学院工学系研究科バイオエンジニアリング専攻 (Dept. of Bioeng. Eng., Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo),

² 京都大学大学院医学研究科 医学専攻感染・免疫学講座微生物感染症学 (Dept. of Microbiol., Sch. of Med., Kyoto Univ.),

³ 佐賀大学農学部生物資源科学科生命機能科学コース分子生命科学分野 (Faculty of Agriculture, Dept. of Appl. Biochem. & Food Sci., Saga Univ.),

⁴ 東京大学大学院工学系研究科化学生命工学専攻 (Dept. of Chem. Biotech., Sch. of Eng., The Univ. of Tokyo),

⁵ 東京大学医科学研究所 (Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo)

2P-119* 創薬スクリーニングに向けた1生細胞ネイティブ質量分析の開発

Development for drug screening by Single live cell-Native mass spectrometry

○鈴木 のあ (Noa Suzuki)、坂本 和香 (Waka Sakamoto)、高野 航太朗 (Kotaro Takano)、小沼 剛 (Tsuyoshi Konuma)、明石 知子 (Satoko Akashi)

横浜市大・生命医 (Grad. Sch. of Med. Life Sci., Yokohama City Univ.)

2P-120* 細胞表面での抗体連結反応によるCAR-T細胞作製技術

Construction of CAR-T cells by antibody ligation on the cell surface

○石山 紫衿瑠¹ (Shieru Ishiyama)、真壁 幸樹^{1,2} (Koki Makabe)

¹ 山形大・院理工・化学バイオ (Grad. Sch. Sci. Eng., Yamagata Univ.), ²JST さきがけ (JST PRESTO)

2P-121* 分岐連結した小型抗体複合体の作製技術

Construction of multimeric VHJs with branched structures

○黒金 仰太¹ (Kota Kurogane)、真壁 幸樹^{1,2} (Koki Makabe)

¹ 山形大・院理工・化学バイオ (Grad. Sch. Sci. Eng., Yamagata Univ.), ²JST さきがけ (JST PRESTO)

2P-122* 人工タンパク質「Mirabody」による上皮成長因子受容体(EGFR)の機能的制御

Artificial protein Mirabody modify the behavior of Epidermal Growth Factor Receptor

○新田 あづさ (Azusa Nitta)、水谷 文哉 (Fumiya Mizutani)、三原 恵美子 (Emiko Miura),

有森 貴夫 (Takao Arimori)、高木 淳一 (Junichi Takagi)

阪大・蛋白研 (IPR, Osaka Univ.)

- 2P-123*** 触媒残基遠方のループ領域におけるタンパク質の進化と工学
Protein Evolution and Engineering through Remote Loop Region
○神初 弾 (Dan Kozome)、ゴンザレス アドリアーナ (Adriana H. Gonzalez)、ラウリーノ パオラ (Paola Laurino)
OIST (Okinawa Institute of Science and Technology)
- 2P-124*** 近赤外線光を活用した免疫療法による難治性がんに対する低分子抗体医薬品の開発
Development of Novel Antibody Pharmaceuticals for Refractory Cancer Using Near-Infrared Light Immunotherapy
○楊 一帆^{1,2} (Yifan Yang)、田所 高志³ (Takashi Tadokoro)、中島 孝平¹ (Kohei Nakajima)、
杉浦 直樹¹ (Naoki Sugiura)、森岡 弘志² (Hiroshi Morioka)、前田 直良⁴ (Naoyoshi Maeda)、
小川 美香子¹ (Mikako Ogawa)、前仲 勝実¹ (Katsumi Maenaka)
¹ 北大院・薬 (Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 熊大院・薬 (Pharm. Sci., Kumamoto Univ.)、
³ 山東理大・薬 (Pharm. Sci., Sanyo-Onoda City Univ.)、⁴ 北海道医療大・薬 (Sch. Pharm. Sci., Hokkaido Health Sciences Univ.)
- 2P-125*** 疎水性蛍光分子の内包に向けたタンパク質ナノケージ TIP60 の疎水化とその物性評価
Hydrophobization of a TIP60 Protein Nanocage for the Encapsulation of Hydrophobic Fluorescent Molecules and Their Characterization
○山下 舞佳¹ (Maika Yamashita)、川上 了史¹ (Norifumi Kawakami)、新井 亮一² (Ryoichi Arai)、
宮本 憲二¹ (Kenji Miyamoto)
¹ 慶大・理工・生情 (Dept. of Biosci. and Inform., Keio Univ.)、² 信州大・織維 (Fac. of Textile Sci. and Tech., Shinshu Univ.)
- 2P-126*** Fc γ RIIIa リガンド蛋白質の耐アルカリ性における分光および熱解析
Spectral and Thermal Analysis of Alkali Resistance in FcγRIIIa Ligand Protein
○奥田 理央¹ (Rio Okuda)、長門石 曜² (Satoru Nagatoishi)、フェルナンデス ホルヘ¹ (Jorge Fernandez)、
カアベイロ ホセ^{3,4} (Jose Caaveiro)、寺尾 陽介⁴ (Yousuke Terao)、井出 輝彦⁴ (Teruhiko Ide)、
津本 浩平¹ (Kouhei Tsumoto)
¹ 東大院・工・バイオ (Dept. of Bioengineer., Sch. of Engineer., The Univ. of Tokyo)、
² 東大院・工・医工学センター (MDRRC., Sch. of Engineer., The Univ. of Tokyo)、
³ 九大院・薬 (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kyushu Univ.)、⁴ 東ソー (Tosoh Corp.)
- 2P-127*** ノロウイルス変異株に対する抗体の作出と特性評価
Generation and characterization of antibodies against norovirus mutant strains
○田川 純平¹ (Jumpei Tagawa)、谷中 洋子¹ (Saeko Yanaka)、加藤 百合¹ (Yuri Kato)、増田 亮津² (Akitsu Masuda)、
李 在萬² (Jaeman Lee)、妹尾 曜暢¹ (Akinobu Senoo)、小山 浩輔¹ (Kosuke Oyama)、植田 正¹ (Tadashi Ueda)、
西田 基宏¹ (Motohiro Nishida)、日下部 宜宏² (Takahiro Kusakabe)、カアベイロ ホセ¹ (Jose Caaveiro)
¹ 九大院薬 (Kyushu Univ. of PS)、² 九大院農 (Kyushu Univ. of AC)
- 2P-128*** アミロイド触媒を模倣したβシート蛋白質の触媒活性評価
Evaluation of β-Sheet model proteins that mimic catalytic amyloid
○杉山 晴哉¹ (Seiya Sugiyama)、高世 祥史¹ (Akifumi Takase)、真壁 幸樹^{1,2} (Koki Makabe)
¹ 山形大・院理工・化学バイオ (Grad. Sch. Sci. Eng., Yamagata Univ.)、² JST さきがけ (JST PRESTO)
- 2P-129*** 環状のトポロジーを持つ小型二重特異性抗体の構築
Construction of small Bispecific T-engagers with circular topology
○高橋 ひより¹ (Hiyori Takahashi)、山田 梨沙¹ (Risa Yamada)、浅野 竜太郎³ (Ryutaro Asano)、
真壁 幸樹^{1,2} (Koki Makabe)
¹ 山形大院工・化学バイオ (Grad. Sch. Sci. Eng., Yamagata Univ.)、² JST さきがけ (JST PRESTO)、
³ 東京農工大院工 (Grad. Sch. Eng., Tokyo Univ. Agri and Tech.)
- 2P-130*** Fab/Fc 連結反応による IgG 六量体の構築と評価
Construction of IgG hexamers via intein-mediated Fab-Fc ligation
○猪子 佳那¹ (Kana Inoko)、菅野 菜津奈¹ (Nazuna Kanno)、中西 猛³ (Takeshi Nakanishi)、
真壁 幸樹^{1,2} (Koki Makabe)
¹ 山形大・院理工・化学バイオ (Grad. Sch. Sci. Eng., Yamagata Univ.)、² JST さきがけ (JST PRESTO)、
³ 大阪公立大院工 (Grad. Sch. Eng., Osaka Met. Univ.)

2P-131* LassoGraft 法を用いた血液脳関門 (BBB) 透過性タンパク質の創製

Creation of Blood brain barrier (BBB)-penetrating protein using LassoGraft technology

○木下 由佳理¹ (Yukari Kinoshita)、Teerapat Anananuchatkul²、水谷 文哉¹ (Fumiya Mizutani)、有森 貴夫¹ (Takao Arimori)、菅 裕明² (Hiroaki Suga)、高木 淳一¹ (Junichi Takagi)

¹ 阪大・蛋白研 (IPR, Osaka Univ.)、² 東大・理 (Sci, The Univ. of Tokyo)

2P-132* 高温堆肥メタゲノム由来新規 PET 分解酵素の活性及び耐熱性の評価

Catalytic activity and stability of novel PET-degrading enzymes from compost metagenomes

○熊谷 圭介¹ (Keisuke Kumagai)、安部 夏月¹ (Natsuki Abe)、畠 昂樹¹ (Koki Hata)、飯塚 怜² (Ryo Iizuka)、森屋 利幸⁴ (Toshiyuki Moriya)、大島 泰郎⁴ (Tairo Oshima)、養王田 正文¹ (Masafumi Yohda)、野口 恵一³ (Keiichi Noguchi)

¹ 東京農工大・工・生命工 (Dept. of Biotechnology and Life Science, Tokyo Univ. of Agriculture and Technology),

² 東京大・理学系研究科 (Graduate School of Science, The Univ. of Tokyo),

³ 東京農工大・学術支援総合センター (Research Center for Science and Technology, Tokyo University of Agriculture and Technology),

⁴ 共和化工業株式会社環境微生物学研究所 (Institute of Environmental microbiology, Kyowa Kako Co., Ltd.)

2P-133* KRAS-G12D 由来ペプチド提示 HLA に対する TCR の親和性向上に向けた分子認識機構の解析

Analysis of molecular recognition mechanism to improve the affinity of TCR to HLA presenting KRAS-G12D-derived peptide

○三浦 友規¹ (Tomoki Miura)、松長 遼^{1,2} (Ryo Matsunaga)、笠原 慶亮¹ (Keisuke Kasahara)、長門石 眇³ (Satoru Nagatoishi)、津本 浩平^{1,2,4} (Kouhei Tsumoto)

¹ 東大・工・バイオエンジ (Dept. of Bioeng., Sch. of Eng., Univ. of Tokyo),

² 東大・工・化生 (Dept. of Chem. Biotech., Sch of Eng., Univ. of Tokyo),

³ 東大・工・医工学 RS センター (MDRRC, Sch of Eng., Univ. of Tokyo)、⁴ 東大・医科研 (Inst. of Med. Sci., Univ. of Tokyo)

2P-134* Computational Design of engineered NT-193 antibody with broad activity against SARS-CoV-2 variant

○潘 旭 (Xu Pan)、Hisham M. Dokainish、前仲 勝実 (Katsumi Maenaka)

北大・薬 (Med., Hokkaido Univ.)

2P-135* 新規プロテオミクス手法を用いた自己抗体バイオマーカー探索と評価系の改良

Novel proteomics method improves autoantibody biomarker assay panel

○伊達 実鈴¹ (Mirei Date)、森 壮流¹ (Takeru Mori)、本莊 知子¹ (Tomoko Honjo)、塩川 つぐみ² (Tsugumi Shiokawa)、多田 宏子² (Hiroko Tada)、宮本 愛¹ (Ai Miyamoto)、二見 淳一郎¹ (Junichiro Futami)

¹ 岡大院・統合科学 (Grad. Sch. ISEHS., Okayama Univ.)、² 岡大・自然生命支援セ (Dept. Inst. Anal., Okayama Univ.)

2P-136* Calmodulin 融合組換えを用いたケモカイン CCL5 の可溶性画分への大量発現

Overexpression of the chemokine CCL5 in the soluble protein fraction in Escherichia coli using a calmodulin fusion recombinant system

○前田 皓丞¹ (Kosuke Maeda)、柴垣 光希² (Mitsuki Shibagaki)、石原 誠一郎³ (Seiichiro Ishihara)、芳賀 永³ (Hisashi Haga)、相沢 智康² (Tomoyasu Aizawa)

¹ 北大・理・生科 (Bio. Sci., Sch. Sci., Hokkaido University),

² 北大院・生命・蛋白質科学 (Lab. Prot. Sci., Grad. Sch. of Life Sci., Hokkaido University),

³ 北大院・生命・細胞ダイナミクス科学 (Lab. Cell Dyn., Grad. Sch. of Life Sci., Hokkaido University)

2P-137* COVID-19 に対する注射型および経鼻ワクチンに有用なワクチン抗原の探索

Exploring effective immunogens in injectable or intranasal vaccines against COVID-19

○逸見 拓矢¹ (Takuya Hemmi)、城田 凜¹ (Rin Shirota)、矢島 久乃¹ (Hisano Yajima)、石川 青空^{2,3} (Sora Ishikawa)、杉田 征彦^{4,5} (Yukihiko Sugita)、相内 章^{2,3} (Akira Ainai)、野田 岳志⁴ (Takeshi Noda)、鈴木 忠樹² (Tadaki Suzuki)、橋口 隆生¹ (Takao Hashiguchi)

¹ 京大・医生研・ウイルス制御 (Lab. of Med. Vir., LiMe, Kyoto Univ.)、² 感染研・病理 (Dept. of Patho., NIID),

³ 東理大・先進工・生シ工 (Dept. of Biological Science and Technology, TUS),

⁴ 京大・白眉センター (Hakubi Center for Advanced Research, Kyoto Univ.),

⁵ 京大・医生研・微細構造 (Lab. of Ultrastructural Vir., LiMe, Kyoto Univ.)

2P-138* 新奇融合発現系によるウシ血球由来抗菌ペプチドファミリーの高収量生産

High-yield production of a family of antimicrobial peptides from bovine blood cell by a novel fusion expression system

- 平井 芙実 (Fumi Hirai)、柴垣 光希 (Mitsuki Shibagaki)、谷 吴 (Hao Gu)、
 クリスナント ジェレミア オクタビアン (Jeremia O Chrisnanto)、
 テフェラ デサレニ アベジエ (Dessalegn A Tefera)、相沢 智康 (Tomoyasu Aizawa)

北大・院生命 (Grad. Sch. Life Sci., Hokkaido Univ.)

2P-139* *Synechococcus sp. NKBG15041c* 由來の MoxR family ATPase の機能と構造

Structure and functional mechanism of MoxR family ATPase from *Synechococcus sp. NKBG15041c*

- 仲 若葉¹ (Wakaba Naka)、真野 広大¹ (Kota Mano)、野井 健太郎¹ (Kentaro Noi)、守島 健² (Ken Morishima)、
 井上 倫太郎² (Rintaro Inoue)、杉山 正明² (Masaaki Sugiyama)、養王田 正文¹ (Masafumi Yohda)、
 山田 晃世¹ (Akiyo Yamada)

¹ 農工大・院工・生命工 (Dept. of Biotech. and Life Sci., Tokyo Univ. of Agr. and Tech.),

² 京大・複合原子力科学研究所 (Inst. for Integrated Rad. and Nuclear Sci., Kyoto Univ.)

2P-140* イソギンチャク由来毒素の毒性発現の分子メカニズムの解明とその活性の制御

Elucidation of the mechanism of toxicity expression of toxins from sea anemones and control of their activity

- 安田 智徳 (Tomonori Yasuda)、谷中 泴子 (Saeko Yanaka)、妹尾 曜暢 (Akinobu Senoo)、
 カアベイロ ホセ (Jose M.M. Caaveiro)

九大・薬 (Grad. Sch. of Phar. Sci., Kyushu Univ.)

2P-141* SUPREM: an engineered non-site-specific m⁶A RNA methyltransferase with highly improved efficiency

- 落合 佳樹¹ (Yoshiki Ochiai)、Ben E. Clifton¹、Madeleine Le Coz²、Marco Terenzio²、Paola Laurino²

¹ 沖縄科技大学・タンパク質工学 進化ユニット (Protein Engineering and Evolution Unit, OIST),

² 沖縄科技大学・分子神経科学ユニット (Molecular Neuroscience Unit, OIST)

2P-142* 抗膜タンパク質抗体融合 AirID 技術 FabID による新規膜タンパク質細胞外領域相互作用解析技術の開発

Antibody fusion AirID technology FabID for the analysis of novel membrane protein extracellular interactions

- 山田 航大¹ (Kohdai Yamada)、西野 耕平² (Kohei Nishino)、土方 敦司³ (Atsushi Hijikata)、
 金子 美華⁴ (Mika K. Kaneko)、加藤 幸成⁴ (Yukinari Kato)、白井 剛⁵ (Tsuyoshi Shirai)、
 小迫 英尊² (Hidetaka Kosako)、澤崎 達也¹ (Tatsuya Sawasaki)

¹ 愛媛大・PROS・無細胞 (PROS, Ehime Univ.), ² 徳島大・先端酵素研・細胞情報 (IAMS, Tokushima Univ.),

³ 東京薬大・生命科学・ゲノム情報 (Lab. CGSLS, TUPLS)、⁴ 東北大院・医・抗体創薬 (Dept. ADD, Tohoku Univ.),

⁵ 長浜バイオ大・フロンティアバイオサイエンス・構造生物 (Dept. Bioscience, NBIO)

2P-143* Application of highly soluble calmodulin to recombinant amyloid-beta peptide fusion expression

- テフェラ デサレニ アベジエ (Dessalegn A Tefera)、柴垣 光希 (Mitsuki Shibagaki)、
 クリスナント ジェレミア (Jeremia Chrisnanto)、平井 芙実 (Fumi Hirai)、相沢 智康 (Tomoyasu Aizawa)
 Grad. Sch. Life Sci., Hokkaido University

2P-144* 深層学習及びシミュレーションを活用した、奇抜な特性を有する新規タンパク質の創成

Creation of novel proteins with unique properties using deep learning and simulation

- 富田 尚希¹ (Naoki Tomita)、村田 裕斗¹ (Hiroto Murata)、小野田 浩宜² (Hiroki Onoda)、
 シャバス レオナルド^{1,2} (Leonard M. G. H. Chavas)、千見寺 浄慈¹ (George Chikenji)

¹ 名大・工・応物 (Dept. Appl. Phys. Nagoya Univ.),

² 名大・シンクロトロン光センター (Synchrotron Radiation Research Center, Nagoya Univ.)

2P-145* 成人T細胞白血病細胞増殖抑制抗体の抗原ペプチド認識の構造基盤

Structural basis of antigen peptide recognition of antibodies inhibiting adult T-cell leukemia cell proliferation

- 露木 貴浩¹ (Takahiro Tsuyuki)、Pablo Adrian Guillen Poza¹、加藤 いづみ¹ (Izumi Kato)、喜多 俊介¹ (Shunsuke Kita)、長郷 巧太¹ (Kota Nagasato)、鷺見 正人¹ (Masato Sumi)、黒木 喜美子¹ (Kimiko Kuroki)、前仲 勝実^{1,2,3,4} (Katsumi Maenaka)、前田 直良^{1,5} (Naoyoshi Maeda)

¹ 北大院薬 (Facul. Pharm. Sci., Hokkaido Univ.)、² 北大人獣研 (Inter. Inst. Zoonosis Control, Hokkaido Univ.)、

³ 北大ワクチン拠点 (Inst. Vaccine Res. & Devel., Hokkaido Univ.)、⁴ 九大院薬 (Facul. Pharm. Sci., Kyushu Univ.)、

⁵ 北海道医療大薬 (Sch. Pharm. Sci., Health Sci. Univ. of Hokkaido)

2P-146* 水素重水素交換質量分析を用いたアデノ随伴ウイルスの高次構造解析

Higher-order structural analysis of adeno-associated virus by hydrogen/deuterium exchange mass spectrometry

- 池田 智彦¹ (Tomohiko Ikeda)、山口 祐希¹ (Yuki Yamaguchi)、松下 青葉¹ (Aoba Matsushita)、津中 康央¹ (Yasuo Tsunaka)、福原 充子¹ (Mitsuko Fukuhara)、鳥巣 哲生¹ (Tetsuo Torisu)、内山 進^{1,2} (Susumu Uchiyama)

¹ 阪大・工・生工 (Eng. Dept., Osaka Univ.)、² 生命創成探究センター (ExCELLS)

2P-147* mRNAディスプレイ法による肝線維化を抑制するヒトV_H単一ドメイン抗体の開発

Development of human V_H single-domain antibodies inhibiting liver fibrosis by using mRNA display

- 永渕 泰平¹ (Taihei Nagafuchi)、藤原 慶¹ (Kei Fujiwara)、岡田 光² (Hikari Okada)、本多 政夫² (Masao Honda)、土居 信英¹ (Nobuhide Doi)

¹ 慶大・理工 (Sch. of Sci. & Tech., Keio Univ.)、² 金沢大・保健学系 (Div. of Health Sci., Kanazawa Univ.)

2P-148* ヒトCD9由来細胞透過性ペプチドC21によるタンパク質膜透過メカニズムの解明

Mechanism of membrane permeabilization of proteins by human CD9-derived cell-penetrating-peptide C21

- 横井 太河 (Taiga Yokoi)、久米野 康絃 (Yasuhiro Kumeno)、藤原 慶 (Kei Fujiwara)、土居 信英 (Nobuhide Doi)、慶大・理工 (Sch. of Sci. and Tech., Keio Univ.)

2P-149 機械学習を用いた進化分子工学による抗体断片の親和性・発現量・熱安定性の同時向上

(YSA-04)

Machine-learning-guided simultaneous molecular evolution for affinity, expression, and stability of antibody fragment

- 伊藤 智之¹ (Tomoyuki Ito)、河田 早矢¹ (Sakiya Kawada)、中澤 光¹ (Hikaru Nakazawa)、村上 明一^{2,3} (Akikazu Murakami)、梅津 光央^{1,4} (Mitsuo Umetsu)

¹ 東北大・工 (Grad. Sch. Eng., Tohoku Univ.)、² 徳島大・医歯薬 (Grad. Sch. Biomed. Sci., Tokushima Univ.)、

³ RePHAGEN 株式会社 (RePHAGEN Co. Ltd.)、⁴ 理研・革新知能 (AIP, RIKEN)

2P-150 人工知能とラボオートメーションを利用した生体システムの構築

Biosystem engineering using AI and Lab Automation

- 木賀 大介 (Daisuke Kiga)、黄 潤一 (Yunil Hwang)、奥田 宗太 (Sota Okuda)、満富 健太 (Kenta Mitsutomi)、高龜 莉花 (Rika Kokame)

早大・先進理工・電気情報生命 (Dept. ElectEng. BioSci., Waseda Univ.)

2P-151* 新規ヒ素凝集タンパク質の原理解明に向けた精製系の確立

Development of a purification system for elucidating the mechanism of a novel arsenite-aggregating protein

- 後藤 千穂¹ (Chiho Goto)、大塚 康児² (Koji Otsuka)、丹羽 達也³ (Tatsuya Niwa)、神谷 克政⁴ (Katsumasa Kamiya)、田口 英樹³ (Hideki Taguchi)、河合 (野間) 繁子^{1,2} (Shigeko Kawai-Noma)

¹ 千葉大・工・共生 (Dept. of Applied Chem. and Biotech., Chiba Univ.)、

² 千葉大院・工・共生 (Dept. of Applied Chem. and Biotech., Chiba Univ.)、

³ 東工大・研究院・細胞センター (Cell Biol. Center IIR, Tokyo Tech)、

⁴ 神奈川工大・基礎・教養教育セ (Center for Basic Edu. & Integ. Learn., Kanagawa Inst. Tech.)