

BC

B 会場（中ホール） / Room B (Mid-sized Hall)
6 月 17 日（火） / June 17 (Tue) 13:30 ~ 15:20

Japanese Session

X 線構造解析・X 線溶液散乱の基礎

The fundamentals of X-ray crystallography and X-ray solution scattering

アルファフォールド時代における蛋白質科学は、容易に構造情報を入手できるが故に、ともすれば実験的な構造決定手段についての背景知識がおろそかになり、結果として構造情報の有効利用を阻害してしまう危険性もはらんでいる。そこで今年度は、今一度しっかりと X 線構造解析・X 線溶液散乱の基礎を学んで頂く企画を立案した。この講座の直後に行われる「蛋白質工学会」のトピックとも連動している。蛋白質科学の専門・非専門に拘らず貴重な機会と信じるので、是非ご参加頂ければ幸いである。

In the era of AlphaFold, protein science has become more accessible due to the ease of obtaining structural information. However, this convenience may lead to a lack of background knowledge about experimental structure determination methods, potentially hindering the effective utilization of structural data. Therefore, this year, we will provide an opportunity to learn the fundamentals of X-ray crystallography and X-ray solution scattering. We believe this lecture will be valuable for both experts and non-experts in protein science.

オーガナイザー：廣明 秀一（名古屋大学）、白井 宏樹（理化学研究所）
Organizers : Hidekazu Hiroaki (Nagoya Univ.), Hiroki Shirai (RIKEN)

[13:30] はじめに

Opening Remarks

○廣明 秀一 (Hidekazu Hiroaki)
名古屋大学 (Nagoya University)

BC-1

[13:35] 拡がる構造研究と結晶構造解析

Advances in structure biology and crystal structure analysis

○月原 富武^{1,2} (Tomitake Tsukihara)

¹ 兵庫県立大・院・理 (Univ. of Hyogo)、² 大阪大学・蛋白研 (The Univ. of Osaka)

BC-2

[14:10] Bio-SAXS & Bio-SANS : 基礎と展望

Bio-SAXS & Bio-SANS: Fundamentals & Future Perspectives

○佐藤 衛 (Mamoru Sato)

CROSS 中性子産業利用推進センター (CROSS Neutron Industrial Application Promotion Center)

[14:45] 総合討論

Discussion

[15:15] おわりに

Closing Remarks

○白井 宏樹 (Hiroki Shirai)
理化学研究所 (RIKEN)